

Conservation genetics of the endangered southern brown bandicoot (*Isoodon obesulus*) in South Australia



You Li

Submitted for the degree of Doctor of Philosophy

School of Earth and Environmental Sciences

The University of Adelaide

August 2013

Appendix 1: microsatellite genotypes for Chapter Three

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B34-2	B38-1	B35-3	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2															
86	1	176	176	144	144	200	200	166	172	157	157	198	224	221	260	252	252	280	280	176	176	230	230	140	140	228	228	0	0	264	276
87	1	176	176	144	144	194	198	166	170	157	169	198	224	260	260	262	262	276	280	176	176	230	230	134	140	232	236	195	195	270	276
88	1	176	176	144	144	0	0	170	172	175	175	198	224	221	260	252	252	276	276	176	176	230	230	140	140	228	228	195	195	276	276
89	1	176	176	144	144	194	198	166	166	157	175	198	198	221	257	252	252	276	280	176	176	221	230	140	140	228	236	195	195	276	276
90	1	176	176	144	144	0	0	166	172	157	157	198	198	257	260	252	252	280	280	176	176	230	230	140	140	0	0	177	195	0	0
91	1	176	176	144	144	194	198	166	166	157	157	198	198	221	260	252	252	276	280	176	176	230	230	140	140	0	0	195	195	0	0
92	1	176	176	144	144	198	198	166	166	157	157	198	198	257	260	252	252	280	280	176	176	230	230	140	140	0	0	195	195	0	0
94	1	176	176	144	144	198	198	166	172	157	157	198	198	221	257	252	252	280	280	176	176	230	230	140	140	228	228	165	195	276	276
95	1	176	176	144	144	198	198	166	166	157	175	198	198	257	260	252	252	280	280	176	176	230	230	140	140	228	236	195	195	276	276
96	1	160	174	144	144	194	194	166	172	157	175	198	198	260	263	252	262	288	288	176	176	230	230	140	140	228	232	195	195	270	270
97	1	160	176	144	144	194	198	170	170	169	169	202	224	260	263	252	252	280	280	176	176	212	221	134	140	228	228	165	195	270	276
101	1	176	176	144	144	194	198	166	166	157	175	198	224	221	257	267	267	276	280	176	176	230	230	140	140	228	240	165	165	276	276
108	1	160	174	144	144	194	194	166	170	157	169	202	224	260	263	252	252	280	284	176	176	230	230	134	134	228	236	195	195	270	270
114	1	160	176	144	144	194	198	170	172	169	169	192	202	260	263	252	252	280	280	176	176	230	230	134	140	228	228	195	195	270	270
142	1	160	160	144	144	194	198	166	166	157	175	202	224	257	260	267	267	280	280	176	176	233	233	140	140	228	232	195	195	0	0
9	2	160	174	144	144	196	196	166	170	157	171	188	224	0	0	252	267	288	288	174	176	230	230	140	140	228	236	195	195	270	276
10	2	176	176	144	144	194	198	166	172	157	157	188	188	260	263	267	267	280	288	174	176	230	230	140	140	228	232	195	195	270	276
11	2	162	174	144	144	194	194	172	172	171	171	224	224	257	257	252	267	276	284	176	176	230	230	140	140	236	256	195	195	273	273
37	2	176	176	144	144	194	198	164	164	157	175	198	224	221	221	252	267	280	284	176	176	230	230	140	140	228	228	195	195	0	0
38	2	174	176	144	144	194	194	170	174	157	171	198	224	257	260	252	272	284	284	176	176	230	230	140	140	0	0	195	195	264	264
39	2	174	174	144	144	194	194	172	172	157	157	224	224	257	260	252	267	284	284	176	176	218	230	140	140	0	0	195	195	264	276
40	2	172	176	144	144	198	198	170	172	157	175	198	224	221	260	252	267	280	284	176	176	230	230	140	140	228	228	195	195	264	270
41	2	172	176	144	144	194	198	170	172	157	157	198	224	221	221	267	267	280	284	176	176	230	230	140	140	228	228	195	195	270	276
42	2	176	176	144	144	194	198	166	166	157	157	188	226	221	263	252	267	280	288	174	174	230	230	140	140	228	228	195	195	270	270
43	2	176	176	144	144	196	196	166	168	157	157	224	224	221	260	252	267	280	288	174	176	230	230	140	140	0	0	195	195	270	276
44	2	162	172	144	144	194	198	172	172	171	171	224	224	257	257	252	267	276	284	176	176	230	230	140	140	236	256	195	195	264	264

Mount Burr microsatellite genotypes

76	2	176	176	144	144	198	198	168	168	157	157	198	198	260	260	252	267	280	280	174	176	230	230	140	140	0	0	195	195	270	276
Sample	Pop	B3-2		B15-1		B20-5		B34-2		B38-1		B35-3		Ioo16		Ioo10		Ioo8		Ioo7		Ioo6		Ioo5		Ioo4		Ioo3		Ioo2	
77	2	172	174	144	144	196	198	170	172	157	157	198	198	257	260	252	267	280	280	174	176	218	230	140	140	0	0	195	195	264	276
78	2	174	176	144	144	198	198	170	174	157	171	198	198	257	260	252	272	280	280	176	176	230	230	140	140	0	0	195	195	264	264
79	2	176	176	144	144	194	194	172	172	157	175	224	224	257	260	252	267	284	284	176	176	230	230	140	140	228	236	195	195	270	276
59	3	162	162	144	144	0	0	166	168	175	175	202	202	260	260	252	252	280	280	176	176	230	230	140	140	236	236	165	165	276	276
60	3	162	174	144	144	0	0	166	168	157	157	202	202	221	260	252	252	276	276	176	176	0	0	140	140	0	0	165	195	270	270
61	3	176	176	144	144	196	198	166	166	169	169	198	202	221	260	252	252	276	284	174	176	230	230	140	140	0	0	0	0	267	267
62	3	162	176	144	162	194	198	166	168	157	157	202	224	263	263	257	257	276	280	176	176	230	230	134	140	236	236	165	165	270	270
63	3	162	178	144	144	198	198	166	166	157	169	224	224	221	263	0	0	280	280	176	176	230	230	134	140	0	0	165	165	270	270
64	3	162	162	144	144	198	198	166	172	157	175	202	202	260	263	252	252	280	280	176	176	230	230	134	134	0	0	165	165	270	276
65	3	162	174	162	166	194	194	166	166	169	175	198	224	221	260	252	252	276	276	174	174	230	230	140	140	228	228	165	165	276	276
66	3	162	162	144	144	194	194	166	166	157	157	202	224	263	263	257	257	276	276	176	176	230	230	134	140	228	228	165	165	270	270
123	3	162	176	144	144	194	194	166	166	157	157	202	224	260	260	252	252	276	276	176	176	230	230	140	140	228	228	165	165	270	276
302	3	162	178	144	144	200	200	166	166	157	157	202	224	221	263	252	252	280	280	176	176	218	230	140	140	0	0	165	165	0	0
303	3	162	178	144	144	198	198	166	166	157	169	202	224	221	263	252	252	280	280	176	176	218	230	140	140	236	236	165	165	270	276
20	4	162	176	144	144	194	196	166	178	157	169	198	224	221	257	252	257	276	288	176	176	230	230	140	140	0	0	171	195	270	270
21	4	162	176	144	156	194	196	166	178	157	169	198	224	221	257	252	257	276	288	176	176	230	230	140	140	0	0	171	195	0	0
57	4	162	162	144	144	194	194	166	168	157	171	202	224	221	257	252	257	284	288	176	176	230	230	140	140	228	228	195	195	270	270
58	4	162	176	144	144	194	194	162	162	169	169	198	198	221	257	257	257	276	288	176	176	230	230	140	140	228	228	195	195	270	270
117	4	162	176	144	144	194	198	166	166	171	175	192	198	221	260	247	247	280	284	176	176	221	230	140	140	228	228	165	165	264	270
144	4	176	178	144	144	194	194	168	168	169	169	202	202	260	260	252	262	284	284	174	176	230	230	140	140	228	228	165	165	270	270
145	4	176	176	164	164	200	200	168	168	157	171	198	198	221	260	252	257	276	284	176	176	230	233	140	140	0	0	165	165	0	0
300	4	162	162	144	144	194	198	168	168	171	171	202	202	221	257	252	257	276	284	176	176	230	230	140	140	228	236	165	195	270	270
301	4	162	176	144	156	194	196	166	178	157	157	198	224	221	257	252	257	276	288	176	176	230	230	140	140	0	0	171	195	270	270
22	5	160	176	144	144	194	198	166	168	157	171	192	192	257	263	252	267	280	288	176	176	230	230	140	140	228	232	165	183	264	276
23	5	160	176	144	144	0	0	166	168	157	157	192	202	257	260	252	252	280	288	176	176	230	233	140	140	0	0	183	183	276	276
24	5	160	176	144	144	196	196	166	166	157	169	198	202	221	257	252	252	280	280	176	176	218	230	134	140	0	0	195	195	0	0
25	5	162	176	144	156	194	194	166	166	169	175	198	224	221	260	247	262	276	284	176	176	230	230	140	140	0	0	165	165	261	264

Mount Burr microsatellite genotypes

26	5	162	176	144	144	194	198	166	168	157	169	202	224	257	263	252	252	280	284	176	176	230	230	140	140	228	232	165	165	264	276
Sample	Pop	B3-2		B15-1		B20-5		B34-2		B38-1		B35-3		Ioo16		Ioo10		Ioo8		Ioo7		Ioo6		Ioo5		Ioo4		Ioo3		Ioo2	
27	5	162	176	144	156	194	194	166	166	169	175	198	224	221	260	247	262	276	284	176	176	230	230	140	140	236	240	165	165	0	0
73	6	174	174	144	144	194	198	166	172	157	171	202	224	260	263	252	267	280	284	176	176	218	230	140	140	0	0	165	195	264	264
82	6	162	174	144	156	200	200	172	174	157	157	0	0	221	260	267	267	276	284	176	176	230	230	140	140	228	232	165	165	264	273
84	6	176	176	156	156	194	198	174	174	157	175	202	226	257	260	252	267	276	280	176	176	230	230	134	140	228	236	165	165	270	270
85	6	162	176	144	156	194	198	172	174	157	157	198	226	221	260	252	262	276	276	176	176	221	230	134	140	0	0	165	195	264	270
118	6	176	176	144	156	194	198	172	172	157	157	198	202	257	260	262	262	276	280	176	176	221	221	140	140	0	0	165	165	270	276
119	6	174	176	144	144	194	198	172	172	169	171	198	202	257	263	252	267	276	284	176	176	230	230	140	140	0	0	165	165	273	276
311	6	176	176	144	144	200	200	170	174	157	167	198	198	221	260	247	252	276	276	176	176	230	230	134	140	228	232	165	165	264	264
312	6	174	176	144	144	200	200	0	0	0	0	0	0	221	221	267	267	284	284	176	176	230	230	134	134	0	0	0	0	264	264
13	7	160	162	144	144	194	194	166	166	175	175	224	224	260	263	252	252	288	288	176	176	230	230	134	140	0	0	165	195	267	273
14	7	162	162	144	144	194	194	172	172	169	171	226	226	221	263	247	247	272	276	176	176	230	230	140	140	232	236	195	195	273	276
93	7	160	162	144	144	200	200	166	166	175	175	226	226	260	263	252	252	288	288	176	176	230	230	134	140	0	0	165	165	267	273
98	7	160	162	144	144	194	200	172	172	171	175	226	226	257	260	252	252	288	288	176	176	230	230	140	140	228	232	165	165	267	276
99	7	162	172	144	144	0	0	172	172	157	175	198	224	221	260	252	267	276	276	176	176	212	230	140	140	228	236	165	195	276	276
100	7	162	162	144	144	194	194	172	172	171	175	224	224	257	263	262	262	276	284	176	176	230	230	140	140	0	0	0	0	0	0
102	7	162	162	144	144	200	200	172	172	157	169	192	198	260	260	252	267	276	276	176	176	230	230	140	140	228	232	165	195	276	276
104	9	160	160	144	144	194	194	172	172	169	175	198	226	263	263	267	267	276	288	174	176	230	230	134	134	0	0	165	165	267	267
105	9	160	160	144	144	194	194	172	172	175	175	188	198	260	263	247	252	276	284	174	176	230	230	134	134	232	232	183	183	267	267
106	9	176	178	172	174	194	194	172	172	169	175	198	226	257	263	252	252	280	284	174	174	230	230	134	134	236	240	165	165	267	270
110	9	160	160	174	174	194	194	0	0	169	169	198	226	263	263	252	267	276	280	174	174	230	230	134	134	0	0	165	165	267	267
111	9	160	160	166	170	0	0	166	172	165	165	226	226	257	263	252	267	276	280	174	176	230	230	134	134	0	0	165	165	261	264
112	9	176	176	166	174	194	194	172	172	169	175	198	226	221	221	252	252	284	284	174	176	230	230	134	140	232	236	165	165	264	270
113	9	176	178	174	174	202	202	166	172	169	169	226	226	260	260	267	267	288	288	174	174	230	230	134	134	0	0	165	165	0	0
115	9	160	160	0	0	200	200	0	0	0	0	188	226	260	263	247	267	276	288	176	176	0	0	134	134	0	0	165	165	0	0
136	9	176	176	144	144	194	212	166	172	169	175	188	226	221	248	247	267	284	284	176	176	233	233	134	134	236	236	165	165	273	273
137	9	176	176	144	144	194	198	166	172	169	175	198	226	221	257	252	267	280	284	176	176	233	233	134	140	0	0	165	165	261	261
138	9	160	176	144	144	204	216	172	172	169	169	198	226	260	260	267	267	276	288	174	174	233	233	134	134	0	0	165	165	0	0

Mount Burr microsatellite genotypes

139	9	176	178	144	144	194	194	172	172	169	169	198	226	260	260	267	267	284	288	174	176	233	233	134	134	0	0	165	165	267	267
Sample	Pop	B3-2		B15-1		B20-5		B34-2		B38-1		B35-3		Ioo16		Ioo10		Ioo8		Ioo7		Ioo6		Ioo5		Ioo4		Ioo3		Ioo2	
140	9	176	178	172	174	194	194	166	172	169	169	226	226	260	260	267	267	284	288	174	176	233	233	134	134	0	0	165	165	0	0
141	9	162	162	144	144	208	212	166	170	169	175	224	224	221	263	267	267	280	284	176	176	230	230	134	140	0	0	165	165	270	276
307	9	176	176	168	170	194	194	166	166	169	169	188	188	221	263	252	267	284	284	174	176	230	230	134	140	232	240	165	165	270	270
308	9	176	176	144	144	0	0	166	166	169	175	188	198	221	263	252	267	284	288	176	176	230	230	134	134	0	0	165	165	267	270
12	10	160	176	168	170	194	194	166	166	169	169	188	188	257	263	267	267	276	284	176	176	230	230	134	134	232	236	165	165	267	267
103	10	176	176	168	170	194	194	166	166	169	175	188	226	221	263	252	267	284	284	174	176	230	230	134	140	232	240	165	165	270	270
107	10	162	162	166	168	194	198	166	166	169	175	198	198	221	260	252	267	280	284	176	176	230	230	134	134	0	0	165	165	270	270
109	10	162	162	168	170	194	198	166	172	169	175	188	198	221	221	247	252	280	284	174	176	230	230	134	140	0	0	165	165	267	267
129	10	178	178	144	144	194	194	168	174	169	175	226	226	257	257	252	267	280	288	174	176	233	233	134	134	228	232	165	165	267	270
130	10	162	176	170	170	194	194	168	174	169	175	198	198	221	260	252	267	288	288	174	176	233	233	140	140	0	0	165	165	0	0
131	10	176	176	168	170	194	194	168	174	169	169	198	198	260	260	252	267	288	288	176	176	233	233	134	140	228	228	165	165	261	261
132	10	162	178	170	174	194	194	166	172	169	169	198	226	221	221	252	267	280	284	176	176	233	233	134	140	228	232	165	165	267	267
133	10	176	176	168	170	194	212	166	166	169	175	198	226	221	221	252	252	284	284	174	176	233	233	134	140	228	236	165	165	267	267
134	10	162	176	144	144	194	194	168	174	169	169	226	226	221	221	247	267	284	288	174	176	233	233	134	140	0	0	165	165	267	270
310	10	162	162	170	170	194	198	166	172	169	169	198	198	221	260	252	267	280	284	176	176	230	230	140	140	0	0	165	165	0	0
45	12	174	176	144	144	194	198	172	172	157	175	192	202	263	263	262	267	280	284	176	176	230	230	140	140	0	0	195	195	264	270
46	12	176	176	144	144	198	198	166	168	157	157	192	202	257	260	252	267	280	280	176	176	230	230	140	140	228	228	195	195	270	276
47	12	162	178	144	168	194	196	166	166	157	157	192	192	260	260	252	252	288	288	176	176	221	230	140	140	228	228	165	195	267	276
48	12	174	176	144	144	194	194	166	172	175	175	198	224	221	260	252	252	284	284	176	176	221	230	140	140	224	232	195	195	267	267
49	12	174	176	144	144	194	194	166	172	175	175	198	226	221	260	252	252	284	284	176	176	221	230	140	140	228	236	195	195	270	276
50	12	162	176	166	168	194	194	166	166	157	157	198	224	221	260	252	252	288	288	176	176	221	230	140	140	228	228	165	165	264	276
51	12	160	176	144	166	194	198	166	172	157	175	192	198	260	260	262	267	280	280	176	176	221	230	134	140	228	228	165	165	270	270
52	12	162	178	144	144	194	194	166	172	157	157	192	198	221	260	262	267	276	276	176	176	230	230	140	140	228	236	165	165	270	276
53	12	174	176	144	144	194	194	166	166	157	157	198	226	221	263	252	267	284	284	176	176	230	230	140	140	228	236	195	195	270	273
54	12	174	176	144	144	194	194	166	166	157	157	198	202	260	260	252	252	0	0	176	176	230	230	140	140	0	0	165	195	264	270
55	12	160	176	156	166	194	198	166	166	157	169	192	202	260	263	252	267	280	280	176	176	221	221	140	140	228	228	165	165	270	270
56	12	172	174	144	144	194	194	172	172	157	175	188	224	221	263	252	267	284	284	176	176	221	230	140	140	232	236	195	195	270	270

Mount Burr microsatellite genotypes

304	12	162	176	144	168	194	198	172	172	157	175	192	192	260	260	252	262	276	280	176	176	218	230	140	140	228	228	165	195	270	276
Sample	Pop	B3-2		B15-1		B20-5		B34-2		B38-1		B35-3		Ioo16		Ioo10		Ioo8		Ioo7		Ioo6		Ioo5		Ioo4		Ioo3		Ioo2	
305	12	160	160	144	144	194	194	172	172	175	175	188	192	263	263	252	252	288	288	176	176	218	230	140	140	228	232	195	195	270	270
306	12	162	176	144	144	186	200	170	172	157	175	198	224	260	263	262	267	280	284	176	176	230	230	140	140	0	0	165	165	0	0
1	13	176	178	144	166	194	194	166	166	0	0	198	224	260	260	252	252	284	284	174	176	230	230	140	140	232	232	165	165	270	270
2	13	176	176	144	144	194	194	166	166	169	171	188	202	260	260	252	267	284	284	174	176	230	230	140	140	228	232	177	177	0	0
3	13	176	176	144	144	194	198	166	166	169	169	202	202	221	260	257	262	280	284	176	176	230	230	140	140	0	0	165	165	270	270
4	13	162	176	144	144	0	0	166	166	157	157	198	198	260	260	262	267	276	276	174	176	230	230	140	140	0	0	165	165	0	0
5	13	160	160	144	144	0	0	166	166	157	157	188	188	260	260	0	0	284	288	176	176	230	230	140	140	228	228	165	165	0	0
6	13	162	176	144	144	194	194	166	166	169	175	202	224	221	260	252	252	276	284	176	176	230	230	134	140	228	240	165	195	270	270
67	13	176	176	144	144	194	194	166	166	157	169	202	224	260	260	252	257	276	284	176	176	230	230	140	140	232	240	165	195	264	270
68	13	162	176	144	144	194	194	166	166	171	175	198	198	260	260	262	267	276	276	174	174	230	230	140	140	0	0	165	165	270	276
69	13	160	176	144	144	198	198	166	168	157	169	198	224	260	260	252	257	280	288	176	176	230	230	140	140	228	236	165	165	270	276
70	13	176	178	144	156	194	194	166	172	169	169	192	202	221	221	252	262	276	284	176	176	230	230	140	140	228	228	165	201	270	276
71	13	162	176	144	144	194	194	166	168	169	169	198	198	221	221	257	262	284	284	176	176	230	230	140	140	232	240	165	195	270	270
72	13	176	176	144	144	194	194	166	168	169	169	192	202	221	260	257	257	276	284	176	176	230	230	140	140	0	0	195	195	270	270
146	13	176	176	144	144	194	194	0	0	157	157	192	192	260	260	252	257	276	276	176	176	230	230	140	140	228	228	165	165	261	261
147	13	162	176	144	144	200	200	168	168	157	157	0	0	221	221	262	262	276	284	174	176	230	230	140	140	0	0	165	165	0	0
148	13	176	176	144	144	194	200	168	174	157	157	198	202	221	221	262	262	284	284	176	176	230	230	140	140	228	232	195	195	0	0
309	13	162	176	144	144	200	200	166	166	157	157	192	202	260	263	262	262	276	288	176	176	218	230	140	140	0	0	0	0	0	0
18	14	174	174	144	144	0	0	166	166	169	171	202	202	263	263	0	0	284	284	176	176	0	0	134	140	228	228	165	165	0	0
19	14	174	174	144	144	194	196	166	166	169	171	202	202	263	263	247	252	284	284	176	176	221	230	134	140	0	0	195	195	273	273
126	14	174	174	144	144	194	194	172	172	157	157	198	202	221	260	252	262	284	284	176	176	230	230	140	140	236	236	165	165	264	264
7	15	162	162	144	144	0	0	166	174	171	171	202	202	221	263	252	252	276	276	176	176	230	230	140	140	236	236	195	195	270	273
8	15	174	176	144	144	194	198	166	174	157	157	202	224	257	260	247	252	276	276	176	176	230	230	140	140	232	232	165	195	270	276
74	15	162	176	144	144	194	198	166	172	157	171	202	202	260	260	252	267	276	276	176	178	230	230	134	140	228	228	183	183	264	276
83	15	160	160	144	144	194	194	172	172	157	157	198	224	257	263	267	267	284	288	176	176	230	230	134	134	0	0	195	195	276	276
120	15	160	160	144	156	194	194	172	174	157	171	198	198	260	263	247	247	288	288	176	176	230	230	134	140	232	232	165	165	0	0
121	15	176	176	144	144	196	196	172	172	157	157	202	224	257	260	267	267	276	276	176	176	230	230	134	134	0	0	183	195	0	0

Mount Burr microsatellite genotypes

122	15	162	162	144	144	194	198	172	174	157	169	198	202	260	260	247	267	276	276	176	176	230	230	134	140	0	0	165	165	270	276
Sample	Pop	B3-2		B15-1		B20-5		B34-2		B38-1		B35-3		Ioo16		Ioo10		Ioo8		Ioo7		Ioo6		Ioo5		Ioo4		Ioo3		Ioo2	
313	16	162	162	144	144	200	200	0	0	157	157	202	202	260	263	252	252	280	280	176	176	218	230	140	140	0	0	165	165	261	261
314	16	176	176	144	144	198	198	0	0	157	157	188	192	257	260	252	252	276	276	176	176	230	230	140	140	228	232	165	165	267	276
315	16	176	176	144	144	200	200	172	174	157	171	192	202	263	263	252	267	276	280	176	176	218	230	140	140	0	0	165	165	261	261
316	16	176	176	144	144	194	198	0	0	169	171	192	192	257	263	267	267	280	288	176	176	230	230	140	140	228	232	165	165	267	270
317	16	176	176	144	144	198	198	174	174	157	171	192	202	260	263	252	267	276	280	176	176	230	230	140	140	228	232	195	195	270	273
318	16	162	176	144	144	0	0	170	172	157	169	192	202	257	260	252	252	276	280	176	176	230	230	140	140	232	232	165	165	270	276
319	16	176	176	144	144	200	200	168	168	157	157	188	188	260	263	252	252	276	276	176	176	230	230	140	140	228	232	165	165	267	273
320	16	162	176	144	144	200	200	0	0	169	169	202	202	260	263	267	267	276	280	176	176	230	230	140	140	0	0	165	165	0	0

Appendix 2: microsatellite genotypes for Chapter Four

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
678	1	166	168	144	144	204	204	163	163	156	156	248	251	257	287	284	284	200	200	236	236	158	158	252	260	159	159	0	0
679	1	168	168	144	144	204	204	163	163	156	158	251	251	257	287	284	284	200	200	236	236	158	158	252	260	159	159	261	261
680	1	168	186	146	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	287	280	284	198	200	236	236	158	230	252	252	0	0	0	0
681	1	166	168	144	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	261	264
684	1	166	166	144	144	204	204	163	163	156	156	248	251	257	287	280	284	198	198	236	236	158	230	252	252	159	159	261	264
685	1	166	168	144	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	252	252	159	159	261	261
686	1	166	168	144	144	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	261	264
687	1	166	166	144	160	0	0	163	163	156	156	251	251	257	277	280	284	208	208	236	236	158	158	252	256	159	159	0	0
688	1	166	168	144	144	204	204	163	163	156	156	248	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	261	261
689	1	186	186	144	160	204	204	163	163	158	158	251	251	257	257	280	284	200	200	236	236	158	158	256	260	159	159	261	261
690	1	168	186	144	152	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	280	284	200	200	236	236	158	158	256	260	159	291	261	261
691	1	168	186	144	152	204	204	163	163	158	158	251	251	257	257	280	284	208	208	236	236	158	158	256	256	159	291	264	264
692	1	168	168	144	146	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	284	284	198	200	236	236	158	230	252	256	159	159	264	264
693	1	186	186	144	144	204	204	163	163	156	156	251	251	257	277	280	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	0	0
694	1	168	186	144	160	204	204	163	163	156	158	248	251	257	257	280	280	200	200	236	236	158	158	256	256	159	159	261	264
695	1	166	168	144	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	261	264
697	1	168	186	144	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	280	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	0	0
698	1	166	168	144	160	204	204	163	163	158	158	251	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	267	267
700	1	166	168	144	144	204	204	163	163	156	158	251	251	257	257	284	284	198	198	236	236	158	158	252	260	159	159	261	261
701	1	166	168	144	144	204	204	163	163	156	158	251	251	257	257	284	284	198	198	236	236	158	158	252	260	159	159	0	0
702	1	166	168	144	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	261	264
703	1	166	166	144	144	204	204	163	163	156	158	248	251	257	287	280	284	200	200	236	236	158	158	252	252	159	159	264	264
704	1	186	186	144	144	204	204	163	163	156	158	251	251	257	277	280	284	200	200	236	236	158	158	0	0	159	159	0	0
705	1	166	168	160	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	280	284	200	200	236	236	158	158	256	256	159	159	264	264
706	1	186	186	144	160	204	204	163	163	156	158	251	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	252	260	159	159	0	0
707	1	166	168	144	146	204	204	163	163	156	156	251	251	257	277	284	284	200	200	236	236	158	158	252	252	159	159	261	261
708	1	186	186	144	144	0	0	163	163	156	158	251	251	257	287	280	284	200	200	236	236	158	158	252	260	159	159	261	264

Central Mount Lofty microsatellite genotypes

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
709	1	168	168	144	152	204	204	163	163	156	158	251	251	257	287	284	284	208	208	236	236	158	158	252	256	159	291	261	264
710	1	168	168	144	144	204	204	163	163	156	158	251	251	257	257	280	284	200	208	236	236	158	158	256	256	159	159	261	264
711	1	168	168	152	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	284	284	198	208	236	236	158	158	256	256	291	291	264	264
712	1	168	168	144	160	204	204	163	163	156	158	251	251	257	287	284	284	198	208	236	236	158	230	252	252	159	159	261	264
713	1	166	166	144	144	204	204	163	163	156	156	248	251	257	257	280	284	208	208	236	236	158	158	252	256	159	159	261	264
714	1	166	168	144	160	204	204	163	163	156	158	251	251	257	257	284	284	208	208	236	236	158	230	252	260	159	159	0	0
715	1	168	186	144	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	287	284	284	198	208	236	236	158	158	252	256	159	159	261	264
716	1	166	168	144	160	204	204	163	163	156	158	248	251	257	257	280	284	200	208	236	236	158	158	252	252	159	159	261	261
717	1	166	168	144	144	204	204	163	163	156	156	251	251	257	287	284	284	198	200	236	236	158	230	252	252	159	159	261	264
718	1	168	186	144	144	204	204	163	163	156	156	248	251	257	287	280	284	198	208	236	236	158	158	252	256	159	159	261	261
719	1	168	168	144	144	0	0	163	163	156	156	251	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	256	260	159	159	261	261
720	1	166	186	144	144	204	204	163	163	156	158	248	251	257	277	280	284	198	208	236	236	158	158	252	256	159	159	261	261
721	1	166	168	144	144	204	204	163	163	156	158	251	251	257	257	284	284	198	208	236	236	158	158	252	260	159	159	261	261
722	1	168	186	144	144	0	0	163	163	156	158	251	251	257	257	280	284	200	208	236	236	158	158	256	256	159	159	261	264
723	1	168	168	144	144	204	204	163	163	156	158	251	251	257	287	284	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	261	261
724	1	168	168	144	144	204	204	163	163	156	156	251	251	257	287	284	284	198	198	236	236	158	158	252	252	159	159	261	264
538	2	186	186	158	158	204	206	163	163	156	158	248	251	277	287	272	280	196	198	236	239	230	236	260	264	0	0	261	261
539	2	188	188	154	154	204	206	163	163	158	158	248	251	257	267	272	280	196	200	236	236	236	248	256	260	285	285	261	261
540	2	166	186	152	160	204	206	163	163	156	158	248	248	267	287	272	280	198	200	236	236	230	230	256	260	291	291	0	0
541	2	186	186	160	160	204	204	163	163	156	156	224	251	267	277	280	280	196	196	236	239	236	236	260	260	0	0	0	0
542	2	186	186	160	160	204	204	163	163	156	158	224	251	267	287	280	280	196	196	236	236	230	236	260	260	0	0	261	261
543	2	186	186	154	160	204	206	163	163	158	158	248	251	257	287	272	280	196	196	239	239	236	236	264	268	285	285	261	261
544	2	186	186	154	160	204	204	163	163	156	156	248	251	277	287	280	280	196	198	236	239	236	236	260	264	285	285	261	261
545	2	186	186	154	160	204	206	163	163	158	160	251	251	277	287	272	280	196	196	236	239	230	236	268	268	285	285	261	261
546	2	186	186	154	160	204	204	163	163	158	158	251	251	277	287	280	280	196	196	236	239	230	236	260	264	285	285	261	261
547	2	186	186	160	160	206	206	163	163	158	160	248	251	267	277	272	272	198	198	236	236	230	230	256	264	0	0	261	261
548	2	186	186	152	160	204	206	163	163	158	158	251	251	267	277	272	280	196	196	239	239	206	236	256	268	285	285	261	261
549	2	186	186	152	160	204	206	163	163	156	158	251	251	257	277	272	280	196	196	236	239	230	236	264	268	285	285	261	261

Central Mount Lofty microsatellite genotypes

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
550	2	178	186	150	154	204	204	163	163	158	158	248	251	267	267	280	284	196	196	236	239	206	254	256	260	285	285	261	261
551	2	186	186	158	160	204	206	163	163	158	158	251	251	257	277	272	280	196	198	236	236	230	230	260	260	0	0	261	261
552	2	188	188	150	160	204	206	163	163	158	158	248	251	257	257	272	280	196	196	236	236	230	236	264	264	0	0	261	261
553	2	188	188	158	160	204	206	163	163	158	158	248	251	257	257	272	280	196	198	236	239	230	236	260	260	0	0	261	261
554	2	188	188	160	160	206	206	163	163	158	158	248	251	257	267	272	272	196	196	236	239	236	236	0	0	0	0	0	0
555	2	186	186	150	160	204	206	163	163	156	158	248	251	257	267	272	280	196	196	239	239	236	236	260	264	0	0	261	261
556	2	188	188	150	160	204	206	163	163	158	158	224	248	257	257	272	280	196	198	236	239	236	236	260	260	0	0	261	261
557	2	188	188	154	160	204	206	163	163	156	158	251	251	267	277	272	280	200	200	236	239	236	248	256	260	285	285	261	261
558	2	186	186	150	160	204	206	163	163	156	158	248	251	257	267	272	280	196	196	239	239	236	236	260	264	0	0	261	261
559	2	182	186	154	160	204	204	163	163	158	158	248	251	257	267	272	280	196	196	236	239	206	236	252	260	285	285	261	261
562	2	186	186	154	160	204	206	163	163	158	158	251	251	267	287	272	280	196	196	239	239	206	236	264	264	285	285	261	261
563	2	188	188	150	160	206	206	163	163	156	158	248	251	267	287	272	272	196	198	236	239	230	236	256	260	171	171	261	261
564	2	166	166	152	160	204	206	163	163	156	158	248	251	257	257	272	284	196	196	236	239	230	248	0	0	291	291	261	261
565	2	178	186	148	160	204	204	163	163	158	158	248	251	267	277	280	284	196	196	236	239	236	236	256	264	0	0	261	261
566	2	166	186	160	160	204	206	0	0	158	160	224	251	0	0	0	0	196	196	0	0	230	236	0	0	0	0	261	264
569	2	186	186	160	160	204	206	163	163	156	158	248	251	257	287	272	280	196	198	236	239	230	236	260	264	0	0	261	261
570	2	182	186	146	154	204	204	163	163	158	158	251	251	257	277	272	280	196	196	236	236	236	236	252	260	285	285	261	261
725	2	166	186	150	160	204	206	163	163	156	158	224	248	267	277	272	280	196	196	236	236	236	236	260	260	159	159	261	261
726	2	186	186	160	160	0	0	163	163	158	158	248	248	257	277	280	280	196	204	236	239	230	236	252	260	159	159	261	261
727	2	166	186	154	160	204	206	163	163	156	158	224	248	257	267	272	280	196	200	236	236	236	248	256	260	285	285	261	261
728	2	186	186	150	154	0	0	163	163	158	158	251	251	267	277	280	280	196	196	239	239	236	236	252	260	285	285	261	261
729	2	186	186	150	160	204	204	163	163	156	158	248	248	257	267	280	280	196	196	236	239	236	236	260	264	0	0	261	261
730	2	186	186	150	160	0	0	163	163	158	158	248	251	257	257	272	280	196	204	236	239	230	236	252	264	159	159	261	261
731	2	186	186	150	154	204	204	163	163	156	158	248	251	257	287	280	280	196	196	239	239	230	230	252	260	285	285	261	261
732	2	186	186	150	154	204	204	163	163	156	158	248	251	257	267	280	280	196	196	239	239	206	236	260	260	285	285	261	261
733	2	186	186	160	160	204	204	163	163	156	158	248	251	262	267	280	280	196	196	236	239	236	236	252	264	159	159	261	261
734	2	186	186	160	160	204	206	163	163	156	158	248	251	257	267	272	280	196	196	236	239	236	236	260	264	0	0	261	261
735	2	186	186	154	160	204	206	163	163	156	158	248	251	257	267	272	280	196	196	236	239	236	248	260	260	285	285	261	261

Central Mount Lofty microsatellite genotypes

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
5700	2	186	186	160	160	204	206	163	163	156	158	248	251	257	287	272	280	196	198	236	239	230	236	260	264	0	0	261	261
578	3	186	186	144	146	204	204	163	163	158	158	248	251	277	287	280	280	196	196	236	236	236	242	256	260	159	159	261	261
579	3	188	188	158	160	204	206	163	163	156	158	251	251	277	287	276	280	196	196	236	236	242	254	252	256	0	0	261	264
580	3	186	186	144	160	204	206	163	165	156	158	251	251	257	277	272	280	196	196	236	236	158	158	252	264	159	159	261	264
581	3	186	186	160	160	204	204	163	163	156	158	248	251	277	277	280	284	198	198	236	239	158	158	260	264	0	0	261	264
582	3	186	186	158	160	204	206	163	163	156	158	248	248	277	287	276	280	208	208	236	236	242	254	256	256	0	0	261	264
636	3	188	188	146	160	204	204	163	163	158	158	248	251	277	287	280	280	196	198	239	239	164	164	256	260	0	0	261	264
637	3	188	188	146	160	204	204	163	163	158	158	251	251	277	277	280	280	200	200	236	236	164	164	256	260	0	0	261	261
638	3	186	186	144	144	204	206	163	163	156	158	248	251	267	277	272	280	198	198	239	239	230	242	260	264	159	159	261	261
639	3	0	0	148	148	202	202	0	0	0	0	248	248	0	0	284	284	196	196	0	0	200	200	0	0	0	0	0	0
640	3	188	188	158	160	204	204	163	163	158	158	251	251	277	287	280	280	196	196	236	239	158	164	256	256	171	171	261	261
641	3	186	186	160	160	204	204	163	163	158	158	248	251	277	287	280	280	196	196	236	239	158	164	260	264	0	0	261	261
643	3	0	0	158	160	204	204	163	163	156	156	248	251	277	287	280	280	198	198	236	236	236	248	256	256	0	0	261	264
644	3	186	186	160	160	204	204	163	163	156	158	248	251	287	287	280	280	198	198	236	239	230	242	256	256	0	0	261	264
583	3	186	186	144	146	204	204	163	163	156	158	248	251	277	287	280	280	196	198	236	239	230	242	256	256	159	159	261	261
584	3	186	186	144	160	204	204	163	163	156	158	248	251	277	277	280	280	198	198	236	239	230	242	256	256	159	159	261	261
585	3	186	186	144	160	204	206	163	163	156	156	251	251	277	287	272	280	198	198	236	239	230	236	256	264	159	159	261	261
586	3	186	186	144	144	204	206	163	163	160	160	248	248	267	287	272	280	198	198	236	239	230	236	260	264	159	159	261	264
587	4	186	186	144	156	204	204	163	163	156	158	251	251	277	287	280	280	200	200	236	236	242	254	252	256	159	159	261	264
588	4	186	186	144	156	204	204	163	163	156	158	251	251	277	287	280	280	200	200	236	236	242	254	252	256	159	159	261	264
589	4	168	168	156	158	204	206	163	163	156	158	251	251	277	287	272	284	196	196	236	236	242	242	252	252	177	177	261	264
590	4	166	168	144	156	204	206	163	163	156	158	251	251	277	287	272	280	196	200	236	236	242	254	252	252	159	177	264	264
591	4	166	168	144	156	204	204	163	163	158	158	248	251	267	287	280	284	196	196	236	236	158	248	252	264	159	177	261	264
592	4	186	186	144	158	204	204	163	165	156	158	251	251	287	287	280	280	196	204	236	236	158	158	252	256	159	159	261	264
593	4	166	168	158	158	204	204	163	163	158	158	248	251	267	287	280	284	196	196	236	236	242	254	252	264	0	0	261	261
594	4	168	178	144	158	204	204	163	163	156	156	248	251	267	287	284	284	196	208	236	236	236	254	252	260	159	159	261	264
595	4	178	178	158	158	204	204	163	163	156	158	248	251	277	277	284	284	196	196	236	236	164	236	260	260	0	0	261	261
596	4	166	178	144	158	204	204	163	165	156	158	251	251	277	277	280	284	200	200	236	236	158	254	252	256	159	159	261	264

Central Mount Lofty microsatellite genotypes

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
597	4	166	168	144	158	204	206	163	163	156	158	251	251	277	287	272	284	196	200	236	236	158	158	252	264	159	177	261	264
598	4	186	186	144	154	204	206	165	165	158	158	251	251	287	287	272	280	200	204	236	236	158	158	252	256	159	159	264	264
501	5	186	186	144	158	204	204	163	163	158	158	251	251	287	287	272	280	196	198	236	236	230	236	252	256	159	159	264	264
502	5	186	186	152	158	204	204	163	163	156	158	248	248	287	287	280	280	196	196	236	236	242	254	256	260	285	285	261	264
503	5	186	186	146	148	204	204	163	165	156	158	248	251	287	287	280	280	196	204	236	236	230	236	252	260	0	0	264	264
504	5	186	186	146	158	204	204	163	163	158	158	251	251	272	287	280	280	196	200	236	236	188	242	260	264	0	0	261	264
505	5	186	186	156	158	204	204	163	163	156	158	248	248	287	287	280	280	196	204	236	236	158	242	260	260	177	177	261	264
506	5	186	186	152	156	204	204	0	0	156	158	248	248	277	287	280	280	196	196	236	236	242	242	256	260	177	177	261	261
507	5	178	178	156	156	204	204	163	163	156	158	248	251	267	287	280	284	196	208	236	236	158	158	256	260	177	177	261	264
508	5	186	186	146	152	204	204	163	163	158	158	248	248	277	287	280	280	196	196	236	236	242	254	256	260	285	285	0	0
509	5	186	186	148	152	204	204	163	165	156	156	248	251	287	287	280	280	196	204	236	236	158	230	252	260	285	285	261	261
510	5	0	0	146	158	204	204	163	165	158	162	248	251	282	287	280	284	196	204	236	236	158	242	256	260	0	0	261	261
511	5	186	186	152	158	204	204	163	163	158	158	248	251	267	267	280	280	196	204	236	236	230	242	260	260	171	171	267	267
512	5	166	166	152	156	204	204	0	0	158	160	248	248	287	287	280	284	196	196	236	236	230	242	256	260	177	285	261	261
513	5	186	186	146	152	204	204	163	163	158	158	248	248	287	287	280	280	196	196	236	236	236	254	260	260	285	285	264	264
514	5	178	186	158	158	204	204	163	163	156	162	251	251	287	287	280	284	196	198	236	236	254	254	260	260	0	0	261	261
515	5	166	166	148	158	204	204	163	165	156	158	251	251	267	287	272	280	196	204	236	236	158	230	252	252	0	0	261	264
831	6	178	186	146	146	204	204	163	163	156	158	248	251	277	287	272	284	196	196	236	236	242	242	256	260	0	0	261	261
832	6	178	178	160	160	204	204	163	165	158	158	248	251	282	287	284	284	196	196	236	236	158	158	256	260	0	0	261	264
833	6	186	186	146	154	204	204	165	165	158	158	251	251	272	287	280	280	198	200	239	239	230	254	256	264	285	285	261	264
834	6	178	186	160	160	204	204	165	165	156	158	248	251	277	287	280	284	196	196	236	236	158	230	252	260	0	0	261	264
835	6	168	168	146	146	204	204	163	163	156	158	251	251	267	277	272	284	196	196	236	236	158	242	260	260	0	0	261	261
836	6	178	186	160	160	204	204	163	165	156	158	248	251	267	277	284	284	196	196	236	236	158	230	256	260	0	0	261	264
837	6	178	186	146	146	204	204	163	165	156	158	251	251	267	287	284	284	196	196	236	236	158	158	256	256	0	0	261	261
839	6	178	186	160	160	204	204	165	165	156	158	248	251	282	287	280	284	198	198	236	236	158	158	256	260	0	0	261	261
840	6	178	186	154	160	204	204	163	165	156	156	251	251	277	287	280	284	196	196	236	236	230	254	260	264	285	285	264	264
841	6	178	186	154	160	204	204	163	165	156	158	251	251	267	287	280	284	200	200	236	236	230	254	260	260	285	285	261	264
842	6	178	186	160	160	204	204	163	165	158	158	251	251	277	287	280	284	196	196	236	236	230	254	260	260	0	0	264	264

Central Mount Lofty microsatellite genotypes

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
843	6	168	168	146	154	204	204	163	163	158	158	251	251	267	277	272	284	196	196	236	236	158	254	256	260	0	0	0	0
844	6	178	178	160	160	204	204	163	165	156	158	248	251	277	287	284	284	196	196	236	236	158	254	260	260	0	0	261	264
845	6	178	186	160	160	204	204	163	165	158	158	248	251	267	287	280	284	198	198	236	236	158	254	260	264	0	0	261	261
846	6	178	186	154	160	204	204	163	165	158	158	248	251	267	277	280	284	198	198	236	239	230	236	256	260	285	285	261	264
847	6	168	168	160	160	204	204	155	163	156	156	251	251	257	287	280	284	196	196	236	236	230	254	256	264	0	0	261	264
848	6	186	186	146	170	204	204	163	163	156	158	251	251	267	277	272	284	196	196	236	236	242	254	256	260	0	0	261	264
615	7	190	190	154	160	204	204	163	163	158	158	251	251	277	287	280	284	196	196	236	236	230	230	256	260	285	285	261	261
616	7	178	186	160	160	204	204	163	163	156	158	251	251	277	287	280	284	196	198	236	239	236	242	260	264	0	0	264	264
618	7	178	178	160	160	204	204	163	165	158	158	248	251	277	287	280	284	196	198	236	239	236	242	256	260	0	0	261	264
619	7	190	190	160	160	204	204	163	163	158	158	248	251	267	287	284	284	196	198	239	239	230	242	256	260	0	0	261	264
620	7	168	168	154	160	204	204	163	165	158	158	251	251	287	287	280	284	196	196	236	236	236	254	260	264	285	285	261	264
621	7	168	178	160	160	204	204	163	165	156	158	248	251	287	287	284	284	198	198	239	239	236	236	260	264	0	0	261	264
622	7	178	186	160	160	204	204	163	163	156	156	251	251	287	287	280	280	196	198	236	239	236	242	256	264	0	0	261	264
623	7	178	186	160	160	204	204	163	163	156	156	251	251	287	287	280	284	198	198	239	239	236	236	256	264	0	0	261	264
624	7	188	188	146	160	204	204	163	163	156	156	251	251	287	287	280	284	196	196	236	236	242	254	252	252	0	0	261	264
625	7	190	190	158	160	204	204	163	163	158	158	248	251	277	287	280	284	198	198	236	239	236	236	264	264	0	0	261	264
626	7	178	186	158	160	204	204	163	163	156	156	251	251	287	287	280	284	198	198	239	239	236	236	256	264	0	0	261	264
627	7	186	186	158	160	204	204	163	163	156	158	248	251	277	277	280	284	198	198	236	239	230	236	0	0	0	0	261	264
628	7	178	186	158	160	204	204	163	163	156	158	251	251	277	287	280	284	196	196	236	236	158	158	256	256	0	0	261	264
736	7	186	186	146	160	204	204	163	163	158	158	251	251	267	287	280	280	196	196	236	239	230	230	256	256	159	159	261	261
737	7	168	186	144	160	0	0	163	163	156	158	251	251	277	277	280	284	196	196	236	236	158	158	252	264	159	159	261	261
738	7	178	178	154	158	204	204	163	165	158	158	251	251	277	287	280	284	198	198	236	239	230	236	260	260	177	285	261	264
739	7	168	186	154	154	204	204	165	165	156	158	251	251	277	287	284	284	196	198	236	239	224	236	264	264	285	285	261	264
740	7	168	178	160	160	204	204	165	165	156	158	248	251	287	287	284	284	198	198	239	239	236	236	260	264	0	0	261	264
741	7	166	166	160	160	0	0	163	163	156	158	248	251	277	287	280	284	196	198	236	239	236	242	0	0	0	0	264	264
742	7	166	186	144	154	204	204	163	163	156	158	251	251	267	287	272	280	200	200	236	236	158	230	256	260	159	285	261	261
743	7	166	178	160	160	0	0	163	163	156	158	248	251	277	287	280	280	196	196	236	236	236	236	256	264	0	0	261	261
744	7	178	186	146	154	204	204	163	163	158	158	248	251	267	277	280	284	196	196	236	236	230	230	256	260	285	285	261	261

Central Mount Lofty microsatellite genotypes

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
599	8	178	182	150	152	204	204	163	163	156	158	248	251	267	267	272	272	196	196	236	236	236	248	0	0	291	291	261	264
600	8	178	186	146	148	204	204	163	163	156	158	224	248	267	272	272	272	196	196	236	236	248	248	252	260	0	0	261	261
601	8	182	186	146	160	206	206	163	165	156	158	224	251	257	257	272	272	196	196	236	239	188	206	248	248	0	0	261	264
602	8	186	186	154	160	206	206	155	163	156	156	224	251	257	272	272	272	196	196	239	239	206	242	256	260	285	285	261	264
604	8	0	0	152	160	204	204	165	165	156	158	248	248	257	257	272	284	196	196	236	236	242	248	252	256	291	291	261	264
605	8	188	188	146	146	204	204	163	163	158	158	224	248	257	257	272	276	200	200	236	236	236	248	252	260	0	0	264	264
606	8	188	188	146	150	204	204	163	163	158	160	248	248	257	267	272	284	196	196	236	236	236	248	260	260	291	291	264	264
607	8	188	188	146	152	204	204	163	163	156	158	248	251	257	267	272	284	196	196	236	236	248	248	260	260	291	291	261	264
608	8	186	186	146	146	204	206	155	163	158	158	248	248	257	267	272	272	200	200	236	236	158	236	0	0	0	0	261	264
609	8	182	186	160	160	204	204	163	165	158	158	248	251	257	267	272	284	196	196	236	239	242	248	252	260	0	0	261	264
610	8	188	188	152	152	204	204	165	165	158	160	248	248	257	267	272	284	196	196	236	236	242	248	256	260	291	291	261	261
611	8	188	188	146	154	204	204	163	163	156	158	248	251	257	267	272	272	196	196	236	236	242	248	252	260	285	285	261	264
612	8	178	186	148	150	204	206	163	165	156	158	0	0	257	257	272	284	196	200	236	236	230	248	252	260	291	291	261	264
613	8	186	186	146	146	206	206	163	165	156	158	224	248	287	287	272	272	196	196	236	236	206	248	252	260	0	0	261	261
614	8	188	188	152	154	204	204	163	163	156	158	248	248	257	267	272	284	196	196	236	236	236	248	252	260	285	291	264	264
667	8	178	186	146	160	204	204	163	165	156	156	224	248	267	287	276	280	200	208	236	239	236	248	252	256	0	0	0	0
668	8	166	166	146	152	204	204	163	165	156	158	248	248	257	257	284	284	196	198	236	236	242	248	256	260	291	291	261	261
669	8	166	166	146	148	204	204	163	165	156	156	248	248	257	287	272	284	200	208	236	236	158	248	260	260	0	0	261	264
670	8	182	186	154	154	206	206	163	163	156	158	248	251	257	257	272	284	196	196	236	236	242	242	252	252	285	285	261	261
671	8	178	182	150	154	204	204	163	163	156	158	248	251	257	267	272	272	200	200	236	236	158	236	252	260	285	285	261	264
672	8	178	186	146	148	204	204	155	163	156	156	248	251	267	267	272	272	208	208	236	236	158	158	252	252	0	0	261	261
673	8	166	166	150	160	204	206	163	165	158	158	248	248	257	287	272	272	196	196	236	236	248	248	252	260	291	291	261	261
674	8	184	186	146	146	204	204	163	163	156	158	248	248	257	267	272	272	196	196	236	239	158	242	252	252	0	0	0	0
675	8	182	186	144	146	206	206	163	165	158	158	248	248	267	277	272	272	196	196	236	236	242	242	260	264	159	159	267	270
676	8	182	186	150	154	206	206	163	165	156	156	251	251	257	257	272	284	196	196	236	239	230	242	264	264	285	285	261	264
677	8	178	186	150	154	204	206	163	165	156	158	251	251	257	257	272	272	196	196	236	236	242	242	252	264	285	285	0	0
645	9	168	178	146	160	204	204	163	165	158	158	248	248	257	267	276	284	196	200	236	236	236	242	260	260	0	0	264	264
646	9	190	190	150	152	204	204	163	163	158	158	248	251	257	257	284	284	196	200	236	236	242	248	256	260	291	291	261	264

Central Mount Lofty microsatellite genotypes

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
647	9	188	190	146	146	204	204	163	163	158	158	248	251	257	267	272	284	196	196	236	236	242	248	260	264	0	0	264	264
648	9	186	186	150	150	204	206	163	163	158	158	248	251	257	267	272	284	200	200	236	236	242	242	256	256	0	0	261	261
649	9	188	188	152	154	204	204	155	163	156	158	251	251	257	267	272	272	196	196	236	236	206	242	260	264	285	291	261	264
650	9	188	190	146	152	204	204	163	163	158	158	248	251	257	267	272	284	196	196	236	236	242	248	260	264	291	291	264	264
653	9	188	190	146	152	204	204	163	163	158	158	248	251	257	267	272	284	196	196	236	236	242	242	264	264	291	291	264	264
654	9	188	188	152	154	204	204	0	0	156	158	251	251	257	267	272	272	196	196	236	236	206	242	260	264	285	291	261	264
655	9	190	190	146	148	204	204	163	163	156	158	248	248	257	267	272	284	196	196	236	236	242	242	260	260	0	0	261	264
656	9	188	188	146	150	204	204	163	163	158	158	251	251	257	267	272	272	196	196	236	236	242	242	264	264	291	291	264	264
657	9	166	168	146	150	204	204	163	163	160	160	248	251	257	267	272	284	196	196	236	236	242	242	260	264	159	159	264	264
658	9	168	168	146	150	204	204	163	165	158	158	248	251	257	267	272	284	196	196	236	236	224	242	260	264	291	291	264	264
659	9	168	168	146	148	204	204	163	163	156	158	248	248	257	267	272	284	196	196	236	236	242	242	260	260	0	0	261	264
660	9	176	176	148	158	204	204	155	163	158	158	248	251	267	267	284	284	196	196	236	236	242	242	260	264	0	0	261	264
661	9	182	186	144	150	204	204	155	165	156	158	224	251	257	272	272	276	196	196	236	236	248	248	256	264	159	159	261	261
662	9	166	166	150	150	204	204	163	165	156	158	248	251	257	267	284	284	196	196	236	236	242	242	252	260	291	291	261	264
663	9	166	166	150	158	204	204	163	165	158	158	248	248	257	267	272	284	196	196	236	236	242	242	252	260	291	291	264	264
665	9	166	166	146	150	204	204	163	163	158	158	248	248	267	267	272	284	196	196	236	236	248	248	264	264	291	291	264	264
666	9	166	166	146	152	204	204	163	163	158	158	251	251	257	267	272	272	196	196	236	236	242	242	264	264	291	291	264	264
799	10	168	168	160	160	206	206	163	165	156	162	251	251	257	262	272	272	196	208	236	239	242	248	252	264	159	159	261	264
800	10	178	182	152	160	204	204	163	165	158	158	248	251	267	277	284	284	196	208	236	239	248	248	252	264	291	291	264	264
801	10	168	178	144	152	204	204	163	165	158	162	248	251	262	267	272	284	196	208	236	239	230	248	260	264	159	159	264	264
802	10	178	186	152	160	204	204	163	163	158	158	248	251	267	277	272	284	208	208	236	239	242	248	252	264	291	291	261	264
803	10	178	186	160	160	204	206	163	165	156	158	251	251	267	277	272	284	200	208	236	239	248	248	260	264	0	0	261	264
804	10	166	178	150	160	204	204	163	165	156	158	251	251	262	267	276	284	200	200	236	239	230	248	0	0	0	0	0	0
805	10	168	168	144	160	206	206	165	165	156	156	251	251	257	267	272	272	200	208	236	236	230	248	260	260	159	159	261	264
806	10	166	178	144	152	204	204	165	165	158	162	251	251	257	267	276	284	208	208	239	239	248	248	252	264	159	159	261	264
807	10	166	178	144	160	204	204	163	163	158	162	248	251	262	277	276	284	208	208	236	239	230	248	0	0	159	159	0	0
808	10	166	166	144	160	204	204	163	165	158	162	248	251	262	267	276	284	196	196	236	239	248	248	252	252	159	159	261	264
818	10	166	186	160	160	204	204	163	165	156	158	248	248	257	267	272	284	200	200	236	239	236	248	0	0	0	0	0	0

Central Mount Lofty microsatellite genotypes

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
760	13	168	182	148	160	0	0	163	163	156	158	248	248	257	287	272	276	196	196	236	236	236	236	0	0	0	0	261	261
761	13	182	182	146	160	0	0	163	163	156	156	248	248	257	267	276	276	196	196	236	236	236	236	260	260	0	0	261	261
762	13	168	182	146	160	206	206	0	0	156	156	248	251	257	267	272	276	196	196	236	236	188	236	260	260	0	0	261	264
629	14	186	186	160	160	204	204	163	165	156	158	248	251	257	262	280	280	198	198	239	239	230	242	260	260	0	0	264	264
630	14	178	186	144	160	204	204	163	165	156	158	248	251	257	277	280	284	198	198	236	239	242	242	260	260	159	159	264	264
631	14	178	186	144	160	204	204	163	163	156	156	248	248	267	277	280	284	198	198	239	239	230	242	252	260	159	159	261	261
632	14	178	186	144	146	204	204	163	163	156	158	248	248	267	277	280	284	196	196	236	239	230	242	248	252	159	159	261	261
633	14	178	186	146	146	204	204	163	163	158	158	248	248	257	277	280	284	196	198	236	239	242	242	248	260	159	159	270	270
634	14	178	186	144	146	204	204	163	163	158	160	248	248	267	272	280	284	196	196	236	239	230	242	252	260	159	159	264	264
635	14	188	188	146	146	204	204	163	165	156	158	248	251	257	277	276	284	196	198	236	239	242	242	248	252	0	0	261	261
792	14	186	186	144	160	204	204	163	163	156	158	248	251	262	277	280	280	176	176	239	239	230	230	252	260	159	159	261	264
793	14	176	178	146	160	204	204	163	165	156	162	248	248	262	277	272	284	198	208	239	239	242	242	260	260	0	0	264	264
794	14	166	166	146	152	204	204	163	163	158	158	251	251	257	267	272	272	196	196	236	236	242	242	264	264	291	291	264	264
795	14	186	186	146	160	204	206	163	163	156	158	248	248	277	277	272	280	198	198	236	239	248	248	260	260	159	159	264	264
796	14	186	186	144	160	204	204	163	163	156	158	248	251	262	277	280	280	196	196	239	239	230	230	252	260	159	159	261	264
573	15	188	188	144	160	204	204	163	165	158	158	251	251	257	262	284	288	196	196	236	239	158	158	248	252	159	159	264	264
574	15	176	182	144	160	204	204	165	165	156	158	248	251	257	257	272	284	198	198	239	239	158	158	248	256	159	159	264	264
575	15	188	188	150	160	204	204	163	165	156	158	248	251	257	262	272	288	198	198	236	239	248	254	248	256	291	291	0	0
576	15	188	188	152	152	204	204	163	165	160	160	251	251	262	262	284	288	196	196	236	239	158	254	248	252	291	291	264	264
577	15	178	186	160	160	204	206	163	163	156	158	251	251	257	257	276	284	196	196	236	236	242	248	248	260	0	0	264	264
777	15	178	182	160	160	204	204	163	165	156	156	248	251	257	257	272	284	196	196	236	236	248	254	256	260	0	0	264	264
778	15	176	186	160	160	204	206	163	163	158	158	251	251	257	262	276	284	196	208	236	239	158	248	248	260	0	0	264	264
780	15	178	182	146	160	204	204	163	163	156	158	248	251	262	262	272	284	194	194	236	239	206	254	0	0	0	0	264	264
781	15	178	178	152	160	204	204	163	165	156	158	251	251	257	262	284	284	196	196	236	236	158	254	248	260	291	291	264	264
782	15	166	166	152	160	204	206	163	165	156	158	251	251	257	257	276	288	196	198	236	239	248	248	248	252	291	291	264	264
783	15	176	182	152	160	204	204	163	163	156	156	248	251	257	262	272	284	196	198	236	239	248	248	256	256	291	291	264	264
784	15	182	186	160	160	204	206	163	163	156	156	248	251	257	262	276	288	196	198	236	239	158	248	256	260	0	0	264	264
785	15	166	176	152	160	204	204	165	165	158	158	251	251	262	267	280	284	198	208	239	239	158	230	252	260	0	0	0	0

Central Mount Lofty microsatellite genotypes

Sample	Pop	B3-2		B15-1		B20-5		B38-1		B34-2		Ioo16		Ioo10		Ioo8		Ioo7		Ioo6		Ioo5		Ioo4		Ioo3		Ioo2	
786	15	166	178	152	160	204	204	165	165	158	158	251	251	262	267	284	284	198	208	239	239	158	230	248	252	291	291	264	264
787	15	182	186	160	160	206	206	163	163	156	156	251	251	257	262	272	276	196	196	236	239	158	254	256	260	0	0	264	264
788	15	182	186	160	160	206	206	163	163	156	156	251	251	257	262	272	276	196	196	236	239	158	254	256	260	0	0	264	264
789	15	176	186	160	160	204	206	163	163	156	156	251	251	257	262	276	284	196	198	236	239	158	248	256	260	0	0	264	264
790	15	178	178	152	160	204	204	165	165	156	158	248	251	257	262	284	284	196	196	236	239	158	248	248	260	291	291	264	264

Appendix 3: microsatellite genotypes for Chapter Five

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
86	1	176	176	144	144	200	200	157	157	166	172	221	260	252	252	280	280	176	176	230	230	140	140	228	228	0	0	264	276
87	1	176	176	144	144	194	198	157	169	166	170	260	260	262	262	276	280	176	176	230	230	134	140	232	236	195	195	270	276
88	1	176	176	144	144	0	0	175	175	170	172	221	260	252	252	276	276	176	176	230	230	140	140	228	228	195	195	276	276
89	1	176	176	144	144	194	198	157	175	166	166	221	257	252	252	276	280	176	176	221	230	140	140	228	236	195	195	276	276
90	1	176	176	144	144	0	0	157	157	166	172	257	260	252	252	280	280	176	176	230	230	140	140	0	0	177	195	0	0
91	1	176	176	144	144	194	198	157	157	166	166	221	260	252	252	276	280	176	176	230	230	140	140	0	0	195	195	0	0
92	1	176	176	144	144	198	198	157	157	166	166	257	260	252	252	280	280	176	176	230	230	140	140	0	0	195	195	0	0
94	1	176	176	144	144	198	198	157	157	166	172	221	257	252	252	280	280	176	176	230	230	140	140	228	228	165	195	276	276
95	1	176	176	144	144	198	198	157	175	166	166	257	260	252	252	280	280	176	176	230	230	140	140	228	236	195	195	276	276
96	1	160	174	144	144	194	194	157	175	166	172	260	263	252	262	288	288	176	176	230	230	140	140	228	232	195	195	270	270
97	1	160	176	144	144	194	198	169	169	170	170	260	263	252	252	280	280	176	176	212	221	134	140	228	228	165	195	270	276
101	1	176	176	144	144	194	198	157	175	166	166	221	257	267	267	276	280	176	176	230	230	140	140	228	240	165	165	276	276
108	1	160	174	144	144	194	194	157	169	166	170	260	263	252	252	280	284	176	176	230	230	134	134	228	236	195	195	270	270
114	1	160	176	144	144	194	198	169	169	170	172	260	263	252	252	280	280	176	176	230	230	134	140	228	228	195	195	270	270
142	1	160	160	144	144	194	198	157	175	166	166	257	260	267	267	280	280	176	176	233	233	140	140	228	232	195	195	0	0
9	2	160	174	144	144	196	196	157	171	166	170	0	0	252	267	288	288	174	176	230	230	140	140	228	236	195	195	270	276
10	2	176	176	144	144	194	198	157	157	166	172	260	263	267	267	280	288	174	176	230	230	140	140	228	232	195	195	270	276
11	2	162	174	144	144	194	194	171	171	172	172	257	257	252	267	276	284	176	176	230	230	140	140	236	256	195	195	273	273
37	2	176	176	144	144	194	198	157	175	164	164	221	221	252	267	280	284	176	176	230	230	140	140	228	228	195	195	0	0
38	2	174	176	144	144	194	194	157	171	170	174	257	260	252	272	284	284	176	176	230	230	140	140	0	0	195	195	264	264
39	2	174	174	144	144	194	194	157	157	172	172	257	260	252	267	284	284	176	176	218	230	140	140	0	0	195	195	264	276
40	2	172	176	144	144	198	198	157	175	170	172	221	260	252	267	280	284	176	176	230	230	140	140	228	228	195	195	264	270
41	2	172	176	144	144	194	198	157	157	170	172	221	221	267	267	280	284	176	176	230	230	140	140	228	228	195	195	270	276
42	2	176	176	144	144	194	198	157	157	166	166	221	263	252	267	280	288	174	174	230	230	140	140	228	228	195	195	270	270
43	2	176	176	144	144	196	196	157	157	166	168	221	260	252	267	280	288	174	176	230	230	140	140	0	0	195	195	270	276
44	2	162	172	144	144	194	198	171	171	172	172	257	257	252	267	276	284	176	176	230	230	140	140	236	256	195	195	264	264
76	2	176	176	144	144	198	198	157	157	168	168	260	260	252	267	280	280	174	176	230	230	140	140	0	0	195	195	270	276

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
77	2	172	174	144	144	196	198	157	157	170	172	257	260	252	267	280	280	174	176	218	230	140	140	0	0	195	195	264	276
78	2	174	176	144	144	198	198	157	171	170	174	257	260	252	272	280	280	176	176	230	230	140	140	0	0	195	195	264	264
79	2	176	176	144	144	194	194	157	175	172	172	257	260	252	267	284	284	176	176	230	230	140	140	228	236	195	195	270	276
59	3	162	162	144	144	0	0	175	175	166	168	260	260	252	252	280	280	176	176	230	230	140	140	236	236	165	165	276	276
60	3	162	174	144	144	0	0	157	157	166	168	221	260	252	252	276	276	176	176	0	0	140	140	0	0	165	195	270	270
61	3	176	176	144	144	196	198	169	169	166	166	221	260	252	252	276	284	174	176	230	230	140	140	0	0	0	0	267	267
62	3	162	176	144	162	194	198	157	157	166	168	263	263	257	257	276	280	176	176	230	230	134	140	236	236	165	165	270	270
63	3	162	178	144	144	198	198	157	169	166	166	221	263	0	0	280	280	176	176	230	230	134	140	0	0	165	165	270	270
64	3	162	162	144	144	198	198	157	175	166	172	260	263	252	252	280	280	176	176	230	230	134	134	0	0	165	165	270	276
65	3	162	174	162	166	194	194	169	175	166	166	221	260	252	252	276	276	174	174	230	230	140	140	228	228	165	165	276	276
66	3	162	162	144	144	194	194	157	157	166	166	263	263	257	257	276	276	176	176	230	230	134	140	228	228	165	165	270	270
123	3	162	176	144	144	194	194	157	157	166	166	260	260	252	252	276	276	176	176	230	230	140	140	228	228	165	165	270	276
302	3	162	178	144	144	200	200	157	157	166	166	221	263	252	252	280	280	176	176	218	230	140	140	0	0	165	165	0	0
303	3	162	178	144	144	198	198	157	169	166	166	221	263	252	252	280	280	176	176	218	230	140	140	236	236	165	165	270	276
20	4	162	176	144	144	194	196	157	169	166	178	221	257	252	257	276	288	176	176	230	230	140	140	0	0	171	195	270	270
21	4	162	176	144	156	194	196	157	169	166	178	221	257	252	257	276	288	176	176	230	230	140	140	0	0	171	195	0	0
57	4	162	162	144	144	194	194	157	171	166	168	221	257	252	257	284	288	176	176	230	230	140	140	228	228	195	195	270	270
58	4	162	176	144	144	194	194	169	169	162	162	221	257	257	257	276	288	176	176	230	230	140	140	228	228	195	195	270	270
117	4	162	176	144	144	194	198	171	175	166	166	221	260	247	247	280	284	176	176	221	230	140	140	228	228	165	165	264	270
144	4	176	178	144	144	194	194	169	169	168	168	260	260	252	262	284	284	174	176	230	230	140	140	228	228	165	165	270	270
145	4	176	176	164	164	200	200	157	171	168	168	221	260	252	257	276	284	176	176	230	233	140	140	0	0	165	165	0	0
300	4	162	162	144	144	194	198	171	171	168	168	221	257	252	257	276	284	176	176	230	230	140	140	228	236	165	195	270	270
301	4	162	176	144	156	194	196	157	157	166	178	221	257	252	257	276	288	176	176	230	230	140	140	0	0	171	195	270	270
22	5	160	176	144	144	194	198	157	171	166	168	257	263	252	267	280	288	176	176	230	230	140	140	228	232	165	183	264	276
23	5	160	176	144	144	0	0	157	157	166	168	257	260	252	252	280	288	176	176	230	233	140	140	0	0	183	183	276	276
24	5	160	176	144	144	196	196	157	169	166	166	221	257	252	252	280	280	176	176	218	230	134	140	0	0	195	195	0	0
25	5	162	176	144	156	194	194	169	175	166	166	221	260	247	262	276	284	176	176	230	230	140	140	0	0	165	165	261	264
26	5	162	176	144	144	194	198	157	169	166	168	257	263	252	252	280	284	176	176	230	230	140	140	228	232	165	165	264	276

Sample	Pop	B3-2		B15-1		B20-5		B38-1		B34-2		Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2									
27	5	162	176	144	156	194	194	169	175	166	166	221	260	247	262	276	284	176	176	230	230	140	140	236	240	165	165	0	0
73	6	174	174	144	144	194	198	157	171	166	172	260	263	252	267	280	284	176	176	218	230	140	140	0	0	165	195	264	264
82	6	162	174	144	156	200	200	157	157	172	174	221	260	267	267	276	284	176	176	230	230	140	140	228	232	165	165	264	273
84	6	176	176	156	156	194	198	157	175	174	174	257	260	252	267	276	280	176	176	230	230	134	140	228	236	165	165	270	270
85	6	162	176	144	156	194	198	157	157	172	174	221	260	252	262	276	276	176	176	221	230	134	140	0	0	165	195	264	270
118	6	176	176	144	156	194	198	157	157	172	172	257	260	262	262	276	280	176	176	221	221	140	140	0	0	165	165	270	276
119	6	174	176	144	144	194	198	169	171	172	172	257	263	252	267	276	284	176	176	230	230	140	140	0	0	165	165	273	276
311	6	176	176	144	144	200	200	157	167	170	174	221	260	247	252	276	276	176	176	230	230	134	140	228	232	165	165	264	264
312	6	174	176	144	144	200	200	0	0	0	0	221	221	267	267	284	284	176	176	230	230	134	134	0	0	0	0	264	264
13	7	160	162	144	144	194	194	175	175	166	166	260	263	252	252	288	288	176	176	230	230	134	140	0	0	165	195	267	273
14	7	162	162	144	144	194	194	169	171	172	172	221	263	247	247	272	276	176	176	230	230	140	140	232	236	195	195	273	276
93	7	160	162	144	144	200	200	175	175	166	166	260	263	252	252	288	288	176	176	230	230	134	140	0	0	165	165	267	273
98	7	160	162	144	144	194	200	171	175	172	172	257	260	252	252	288	288	176	176	230	230	140	140	228	232	165	165	267	276
99	7	162	172	144	144	0	0	157	175	172	172	221	260	252	267	276	276	176	176	212	230	140	140	228	236	165	195	276	276
100	7	162	162	144	144	194	194	171	175	172	172	257	263	262	262	276	284	176	176	230	230	140	140	0	0	0	0	0	0
102	7	162	162	144	144	200	200	157	169	172	172	260	260	252	267	276	276	176	176	230	230	140	140	228	232	165	195	276	276
104	8	160	160	144	144	194	194	169	175	172	172	263	263	267	267	276	288	174	176	230	230	134	134	0	0	165	165	267	267
105	8	160	160	144	144	194	194	175	175	172	172	260	263	247	252	276	284	174	176	230	230	134	134	232	232	183	183	267	267
106	8	176	178	172	174	194	194	169	175	172	172	257	263	252	252	280	284	174	174	230	230	134	134	236	240	165	165	267	270
110	8	160	160	174	174	194	194	169	169	0	0	263	263	252	267	276	280	174	174	230	230	134	134	0	0	165	165	267	267
111	8	160	160	166	170	0	0	165	165	166	172	257	263	252	267	276	280	174	176	230	230	134	134	0	0	165	165	261	264
112	8	176	176	166	174	194	194	169	175	172	172	221	221	252	252	284	284	174	176	230	230	134	140	232	236	165	165	264	270
113	8	176	178	174	174	202	202	169	169	166	172	260	260	267	267	288	288	174	174	230	230	134	134	0	0	165	165	0	0
115	8	160	160	0	0	200	200	0	0	0	0	260	263	247	267	276	288	176	176	0	0	134	134	0	0	165	165	0	0
136	8	176	176	144	144	194	212	169	175	166	172	221	248	247	267	284	284	176	176	233	233	134	134	236	236	165	165	273	273
137	8	176	176	144	144	194	198	169	175	166	172	221	257	252	267	280	284	176	176	233	233	134	140	0	0	165	165	261	261
138	8	160	176	144	144	204	216	169	169	172	172	260	260	267	267	276	288	174	174	233	233	134	134	0	0	165	165	0	0
139	8	176	178	144	144	194	194	169	169	172	172	260	260	267	267	284	288	174	176	233	233	134	134	0	0	165	165	267	267

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
140	8	176	178	172	174	194	194	169	169	166	172	260	260	267	267	284	288	174	176	233	233	134	134	0	0	165	165	0	0
141	8	162	162	144	144	208	212	169	175	166	170	221	263	267	267	280	284	176	176	230	230	134	140	0	0	165	165	270	276
307	8	176	176	168	170	194	194	169	169	166	166	221	263	252	267	284	284	174	176	230	230	134	140	232	240	165	165	270	270
308	8	176	176	144	144	0	0	169	175	166	166	221	263	252	267	284	288	176	176	230	230	134	134	0	0	165	165	267	270
12	9	160	176	168	170	194	194	169	169	166	166	257	263	267	267	276	284	176	176	230	230	134	134	232	236	165	165	267	267
103	9	176	176	168	170	194	194	169	175	166	166	221	263	252	267	284	284	174	176	230	230	134	140	232	240	165	165	270	270
107	9	162	162	166	168	194	198	169	175	166	166	221	260	252	267	280	284	176	176	230	230	134	134	0	0	165	165	270	270
109	9	162	162	168	170	194	198	169	175	166	172	221	221	247	252	280	284	174	176	230	230	134	140	0	0	165	165	267	267
129	9	178	178	144	144	194	194	169	175	168	174	257	257	252	267	280	288	174	176	233	233	134	134	228	232	165	165	267	270
130	9	162	176	170	170	194	194	169	175	168	174	221	260	252	267	288	288	174	176	233	233	140	140	0	0	165	165	0	0
131	9	176	176	168	170	194	194	169	169	168	174	260	260	252	267	288	288	176	176	233	233	134	140	228	228	165	165	261	261
132	9	162	178	170	174	194	194	169	169	166	172	221	221	252	267	280	284	176	176	233	233	134	140	228	232	165	165	267	267
133	9	176	176	168	170	194	212	169	175	166	166	221	221	252	252	284	284	174	176	233	233	134	140	228	236	165	165	267	267
134	9	162	176	144	144	194	194	169	169	168	174	221	221	247	267	284	288	174	176	233	233	134	140	0	0	165	165	267	270
310	9	162	162	170	170	194	198	169	169	166	172	221	260	252	267	280	284	176	176	230	230	140	140	0	0	165	165	0	0
45	10	174	176	144	144	194	198	157	175	172	172	263	263	262	267	280	284	176	176	230	230	140	140	0	0	195	195	264	270
46	10	176	176	144	144	198	198	157	157	166	168	257	260	252	267	280	280	176	176	230	230	140	140	228	228	195	195	270	276
47	10	162	178	144	168	194	196	157	157	166	166	260	260	252	252	288	288	176	176	221	230	140	140	228	228	165	195	267	276
48	10	174	176	144	144	194	194	175	175	166	172	221	260	252	252	284	284	176	176	221	230	140	140	224	232	195	195	267	267
49	10	174	176	144	144	194	194	175	175	166	172	221	260	252	252	284	284	176	176	221	230	140	140	228	236	195	195	270	276
50	10	162	176	166	168	194	194	157	157	166	166	221	260	252	252	288	288	176	176	221	230	140	140	228	228	165	165	264	276
51	10	160	176	144	166	194	198	157	175	166	172	260	260	262	267	280	280	176	176	221	230	134	140	228	228	165	165	270	270
52	10	162	178	144	144	194	194	157	157	166	172	221	260	262	267	276	276	176	176	230	230	140	140	228	236	165	165	270	276
53	10	174	176	144	144	194	194	157	157	166	166	221	263	252	267	284	284	176	176	230	230	140	140	228	236	195	195	270	273
54	10	174	176	144	144	194	194	157	157	166	166	260	260	252	252	0	0	176	176	230	230	140	140	0	0	165	195	264	270
55	10	160	176	156	166	194	198	157	169	166	166	260	263	252	267	280	280	176	176	221	221	140	140	228	228	165	165	270	270
56	10	172	174	144	144	194	194	157	175	172	172	221	263	252	267	284	284	176	176	221	230	140	140	232	236	195	195	270	270
304	10	162	176	144	168	194	198	157	175	172	172	260	260	252	262	276	280	176	176	218	230	140	140	228	228	165	195	270	276

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
305	10	160	160	144	144	194	194	175	175	172	172	263	263	252	252	288	288	176	176	218	230	140	140	228	232	195	195	270	270
306	10	162	176	144	144	186	200	157	175	170	172	260	263	262	267	280	284	176	176	230	230	140	140	0	0	165	165	0	0
1	11	176	178	144	166	194	194	0	0	166	166	260	260	252	252	284	284	174	176	230	230	140	140	232	232	165	165	270	270
2	11	176	176	144	144	194	194	169	171	166	166	260	260	252	267	284	284	174	176	230	230	140	140	228	232	177	177	0	0
3	11	176	176	144	144	194	198	169	169	166	166	221	260	257	262	280	284	176	176	230	230	140	140	0	0	165	165	270	270
4	11	162	176	144	144	0	0	157	157	166	166	260	260	262	267	276	276	174	176	230	230	140	140	0	0	165	165	0	0
5	11	160	160	144	144	0	0	157	157	166	166	260	260	0	0	284	288	176	176	230	230	140	140	228	228	165	165	0	0
6	11	162	176	144	144	194	194	169	175	166	166	221	260	252	252	276	284	176	176	230	230	134	140	228	240	165	195	270	270
67	11	176	176	144	144	194	194	157	169	166	166	260	260	252	257	276	284	176	176	230	230	140	140	232	240	165	195	264	270
68	11	162	176	144	144	194	194	171	175	166	166	260	260	262	267	276	276	174	174	230	230	140	140	0	0	165	165	270	276
69	11	160	176	144	144	198	198	157	169	166	168	260	260	252	257	280	288	176	176	230	230	140	140	228	236	165	165	270	276
70	11	176	178	144	156	194	194	169	169	166	172	221	221	252	262	276	284	176	176	230	230	140	140	228	228	165	201	270	276
71	11	162	176	144	144	194	194	169	169	166	168	221	221	257	262	284	284	176	176	230	230	140	140	232	240	165	195	270	270
72	11	176	176	144	144	194	194	169	169	166	168	221	260	257	257	276	284	176	176	230	230	140	140	0	0	195	195	270	270
146	11	176	176	144	144	194	194	157	157	0	0	260	260	252	257	276	276	176	176	230	230	140	140	228	228	165	165	261	261
147	11	162	176	144	144	200	200	157	157	168	168	221	221	262	262	276	284	174	176	230	230	140	140	0	0	165	165	0	0
148	11	176	176	144	144	194	200	157	157	168	174	221	221	262	262	284	284	176	176	230	230	140	140	228	232	195	195	0	0
309	11	162	176	144	144	200	200	157	157	166	166	260	263	262	262	276	288	176	176	218	230	140	140	0	0	0	0	0	0
18	12	174	174	144	144	0	0	169	171	166	166	263	263	0	0	284	284	176	176	0	0	134	140	228	228	165	165	0	0
19	12	174	174	144	144	194	196	169	171	166	166	263	263	247	252	284	284	176	176	221	230	134	140	0	0	195	195	273	273
126	12	174	174	144	144	194	194	157	157	172	172	221	260	252	262	284	284	176	176	230	230	140	140	236	236	165	165	264	264
7	13	162	162	144	144	0	0	171	171	166	174	221	263	252	252	276	276	176	176	230	230	140	140	236	236	195	195	270	273
8	13	174	176	144	144	194	198	157	157	166	174	257	260	247	252	276	276	176	176	230	230	140	140	232	232	165	195	270	276
74	13	162	176	144	144	194	198	157	171	166	172	260	260	252	267	276	276	176	178	230	230	134	140	228	228	183	183	264	276
83	13	160	160	144	144	194	194	157	157	172	172	257	263	267	267	284	288	176	176	230	230	134	134	0	0	195	195	276	276
120	13	160	160	144	156	194	194	157	171	172	174	260	263	247	247	288	288	176	176	230	230	134	140	232	232	165	165	0	0
121	13	176	176	144	144	196	196	157	157	172	172	257	260	267	267	276	276	176	176	230	230	134	134	0	0	183	195	0	0
122	13	162	162	144	144	194	198	157	169	172	174	260	260	247	267	276	276	176	176	230	230	134	140	0	0	165	165	270	276

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
313	14	162	162	144	144	200	200	157	157	0	0	260	263	252	252	280	280	176	176	218	230	140	140	0	0	165	165	261	261
314	14	176	176	144	144	198	198	157	157	0	0	257	260	252	252	276	276	176	176	230	230	140	140	228	232	165	165	267	276
315	14	176	176	144	144	200	200	157	171	172	174	263	263	252	267	276	280	176	176	218	230	140	140	0	0	165	165	261	261
316	14	176	176	144	144	194	198	169	171	0	0	257	263	267	267	280	288	176	176	230	230	140	140	228	232	165	165	267	270
317	14	176	176	144	144	198	198	157	171	174	174	260	263	252	267	276	280	176	176	230	230	140	140	228	232	195	195	270	273
318	14	162	176	144	144	0	0	157	169	170	172	257	260	252	252	276	280	176	176	230	230	140	140	232	232	165	165	270	276
319	14	176	176	144	144	200	200	157	157	168	168	260	263	252	252	276	276	176	176	230	230	140	140	228	232	165	165	267	273
320	14	162	176	144	144	200	200	169	169	0	0	260	263	267	267	276	280	176	176	230	230	140	140	0	0	165	165	0	0
951	15	162	166	146	146	194	194	159	159	168	172	221	260	252	252	276	280	174	176	221	230	140	140	236	240	165	165	267	267
952	15	162	162	146	146	194	194	159	159	168	172	260	260	242	252	280	280	174	174	230	230	140	140	236	236	165	201	267	267
953	15	162	162	146	146	194	194	159	159	168	172	221	260	242	252	284	284	174	174	221	230	140	140	236	236	201	201	264	267
954	15	162	166	146	146	194	194	159	159	168	172	221	221	252	252	276	280	174	174	221	230	140	140	236	240	165	201	264	267
955	15	162	166	146	146	194	194	159	159	168	172	221	221	252	252	276	280	174	174	221	221	140	140	236	240	165	165	264	267
956	15	166	166	146	146	194	194	159	159	172	172	221	221	242	252	276	276	174	174	221	230	140	140	240	240	201	201	267	267
957	16	166	166	144	144	194	194	0	0	168	172	260	260	242	252	280	280	176	176	230	230	140	140	244	244	165	165	267	267
958	16	162	162	144	144	194	194	159	159	168	170	260	260	252	252	276	276	176	176	230	230	140	140	232	244	165	165	267	267
959	16	162	162	146	146	194	194	159	159	168	172	260	260	247	252	284	284	176	176	221	230	140	140	232	244	201	201	267	267
960	16	162	162	144	144	194	194	171	171	168	172	260	260	242	242	284	284	176	176	230	230	140	140	244	244	165	165	267	267
961	17	160	162	146	146	194	194	171	175	168	172	260	260	252	257	276	280	176	176	230	230	140	140	244	244	165	201	264	267
962	17	160	162	146	146	194	194	175	175	170	172	0	0	252	252	0	0	176	176	230	230	140	140	0	0	165	165	0	0
963	17	160	160	146	146	194	194	171	171	168	172	260	260	252	257	276	284	176	176	230	230	140	140	244	248	201	201	267	267
964	17	160	160	146	146	194	194	159	159	168	172	245	260	252	257	276	284	176	176	230	230	140	140	244	248	201	201	264	267
965	17	160	160	146	146	194	194	171	171	168	172	260	260	252	257	276	284	176	176	230	230	140	140	244	248	201	201	267	267
966	17	166	166	146	146	194	194	175	175	168	172	245	245	257	257	276	284	176	176	230	230	140	140	240	244	201	201	267	267
967	17	162	166	146	146	194	194	171	175	168	172	245	245	252	257	276	280	174	174	230	230	140	140	240	248	165	201	267	267
968	18	0	0	0	0	0	0	173	173	168	172	0	0	247	247	0	0	174	174	230	230	0	0	224	248	0	0	0	0
969	18	162	162	146	146	194	194	173	173	168	172	245	260	252	252	280	284	174	174	230	230	140	140	224	224	201	201	267	267
970	18	162	184	146	146	194	194	173	173	170	170	0	0	247	252	280	284	174	174	230	230	140	140	0	0	201	201	0	0

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
971	19	162	162	146	146	194	194	173	173	168	170	245	260	252	252	280	284	174	176	230	230	140	140	224	248	165	201	267	267
972	19	162	162	144	144	194	194	173	173	172	172	260	260	252	252	280	284	174	174	230	230	140	140	224	248	165	165	267	267
973	19	162	162	146	146	194	194	173	173	170	170	245	260	247	252	280	284	176	176	230	230	140	140	224	224	165	165	267	267
974	19	0	0	146	146	194	194	173	173	170	170	245	260	252	252	280	280	174	176	230	230	140	140	224	248	165	201	276	276
975	19	162	162	144	146	194	194	173	175	168	172	260	260	247	252	280	284	174	174	230	230	140	140	224	224	165	165	267	267
976	19	162	162	146	146	194	194	173	173	170	170	260	260	252	252	280	284	174	174	230	230	140	140	224	248	165	165	267	267
977	19	162	162	0	0	194	194	173	173	170	170	245	260	247	252	280	284	174	174	230	230	140	140	0	0	201	201	267	267
978	20	162	162	0	0	194	194	157	175	166	170	257	257	257	262	292	292	176	176	230	230	140	140	0	0	165	171	0	0
979	20	162	162	0	0	194	194	173	175	170	172	260	260	262	262	280	280	176	176	230	230	140	140	0	0	201	213	0	0
980	20	162	162	0	0	194	194	177	177	166	172	221	221	252	262	280	280	176	176	230	230	140	140	0	0	201	213	0	0
981	20	176	176	0	0	194	194	173	175	166	170	221	221	252	262	280	292	176	176	230	230	140	140	0	0	171	213	0	0
982	20	176	176	0	0	194	194	173	175	166	170	257	260	247	262	280	284	176	176	230	230	140	140	0	0	201	213	0	0
983	20	162	176	0	0	194	194	173	175	170	170	0	0	252	252	0	0	176	176	230	230	140	140	0	0	171	171	0	0
984	20	176	176	0	0	194	194	173	175	168	172	257	260	252	262	292	292	176	176	230	230	140	140	240	240	213	213	270	270
985	20	162	162	0	0	194	194	173	173	168	172	257	260	252	262	292	292	176	176	230	230	140	140	228	228	201	213	267	270
986	20	176	176	0	0	194	194	173	173	170	172	221	260	252	262	280	292	176	176	230	230	140	140	240	240	213	213	276	276
987	20	0	0	0	0	194	194	173	173	170	172	221	257	252	262	280	292	176	176	230	230	140	140	0	0	171	213	276	276
988	20	176	176	0	0	194	194	173	173	170	170	221	257	247	252	280	280	176	176	230	230	140	140	0	0	201	213	276	276
989	20	176	176	0	0	194	194	173	173	170	172	257	260	252	252	292	292	176	176	230	230	140	140	0	0	213	213	0	0
411	21	168	186	154	154	204	204	163	163	160	160	248	248	262	272	272	272	194	194	239	239	242	242	0	0	285	285	264	264
412	21	178	186	148	154	204	204	163	163	160	160	251	251	272	272	280	284	194	194	239	239	242	242	228	236	285	285	264	264
413	21	186	186	150	160	206	206	163	163	160	160	251	251	277	282	272	272	194	194	239	239	164	242	0	0	291	291	264	264
414	21	166	186	150	152	200	200	163	163	160	160	248	248	0	0	0	0	194	194	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0
415	21	168	186	160	160	206	206	163	163	160	160	224	224	272	272	272	272	194	194	239	239	242	242	264	264	0	0	0	0
416	21	168	178	150	160	204	204	163	163	160	160	251	251	272	277	284	284	194	194	239	239	242	242	0	0	291	291	0	0
417	21	168	178	150	160	204	204	163	163	160	160	251	251	272	277	284	284	194	194	239	239	242	242	0	0	291	291	0	0
418	21	186	186	150	152	204	206	165	165	160	160	251	251	272	272	272	272	194	194	239	239	242	242	236	236	285	291	0	0
419	21	186	186	150	150	204	206	163	163	158	160	248	251	272	277	272	280	194	194	239	239	164	242	236	236	291	291	261	261

Sample	Pop	B3-2		B15-1		B20-5		B38-1		B34-2		Ioo16		Ioo10		Ioo8		Ioo7		Ioo6		Ioo5		Ioo4		Ioo3		Ioo2	
678	22	166	168	144	144	204	204	163	163	156	156	248	251	257	287	284	284	200	200	236	236	158	158	252	260	159	159	0	0
679	22	168	168	144	144	204	204	163	163	156	158	251	251	257	287	284	284	200	200	236	236	158	158	252	260	159	159	261	261
680	22	168	186	146	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	287	280	284	198	200	236	236	158	230	252	252	0	0	0	0
681	22	166	168	144	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	261	264
684	22	166	166	144	144	204	204	163	163	156	156	248	251	257	287	280	284	198	198	236	236	158	230	252	252	159	159	261	264
685	22	166	168	144	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	252	252	159	159	261	261
686	22	166	168	144	144	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	261	264
687	22	166	166	144	160	0	0	163	163	156	156	251	251	257	277	280	284	208	208	236	236	158	158	252	256	159	159	0	0
688	22	166	168	144	144	204	204	163	163	156	156	248	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	261	261
689	22	186	186	144	160	204	204	163	163	158	158	251	251	257	257	280	284	200	200	236	236	158	158	256	260	159	159	261	261
690	22	168	186	144	152	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	280	284	200	200	236	236	158	158	256	260	159	291	261	261
691	22	168	186	144	152	204	204	163	163	158	158	251	251	257	257	280	284	208	208	236	236	158	158	256	256	159	291	264	264
692	22	168	168	144	146	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	284	284	198	200	236	236	158	230	252	256	159	159	264	264
693	22	186	186	144	144	204	204	163	163	156	156	251	251	257	277	280	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	0	0
694	22	168	186	144	160	204	204	163	163	156	158	248	251	257	257	280	280	200	200	236	236	158	158	256	256	159	159	261	264
695	22	166	168	144	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	261	264
697	22	168	186	144	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	280	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	0	0
698	22	166	168	144	160	204	204	163	163	158	158	251	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	267	267
700	22	166	168	144	144	204	204	163	163	156	158	251	251	257	257	284	284	198	198	236	236	158	158	252	260	159	159	261	261
701	22	166	168	144	144	204	204	163	163	156	158	251	251	257	257	284	284	198	198	236	236	158	158	252	260	159	159	0	0
702	22	166	168	144	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	261	264
703	22	166	166	144	144	204	204	163	163	156	158	248	251	257	287	280	284	200	200	236	236	158	158	252	252	159	159	264	264
704	22	186	186	144	144	204	204	163	163	156	158	251	251	257	277	280	284	200	200	236	236	158	158	0	0	159	159	0	0
705	22	166	168	160	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	280	284	200	200	236	236	158	158	256	256	159	159	264	264
706	22	186	186	144	160	204	204	163	163	156	158	251	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	252	260	159	159	0	0
707	22	166	168	144	146	204	204	163	163	156	156	251	251	257	277	284	284	200	200	236	236	158	158	252	252	159	159	261	261
708	22	186	186	144	144	0	0	163	163	156	158	251	251	257	287	280	284	200	200	236	236	158	158	252	260	159	159	261	264
709	22	168	168	144	152	204	204	163	163	156	158	251	251	257	287	284	284	208	208	236	236	158	158	252	256	159	291	261	264

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
710	22	168	168	144	144	204	204	163	163	156	158	251	251	257	257	280	284	200	208	236	236	158	158	256	256	159	159	261	264
711	22	168	168	152	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	257	284	284	198	208	236	236	158	158	256	256	291	291	264	264
712	22	168	168	144	160	204	204	163	163	156	158	251	251	257	287	284	284	198	208	236	236	158	230	252	252	159	159	261	264
713	22	166	166	144	144	204	204	163	163	156	156	248	251	257	257	280	284	208	208	236	236	158	158	252	256	159	159	261	264
714	22	166	168	144	160	204	204	163	163	156	158	251	251	257	257	284	284	208	208	236	236	158	230	252	260	159	159	0	0
715	22	168	186	144	160	204	204	163	163	156	156	251	251	257	287	284	284	198	208	236	236	158	158	252	256	159	159	261	264
716	22	166	168	144	160	204	204	163	163	156	158	248	251	257	257	280	284	200	208	236	236	158	158	252	252	159	159	261	261
717	22	166	168	144	144	204	204	163	163	156	156	251	251	257	287	284	284	198	200	236	236	158	230	252	252	159	159	261	264
718	22	168	186	144	144	204	204	163	163	156	156	248	251	257	287	280	284	198	208	236	236	158	158	252	256	159	159	261	261
719	22	168	168	144	144	0	0	163	163	156	156	251	251	257	257	284	284	200	200	236	236	158	158	256	260	159	159	261	261
720	22	166	186	144	144	204	204	163	163	156	158	248	251	257	277	280	284	198	208	236	236	158	158	252	256	159	159	261	261
721	22	166	168	144	144	204	204	163	163	156	158	251	251	257	257	284	284	198	208	236	236	158	158	252	260	159	159	261	261
722	22	168	186	144	144	0	0	163	163	156	158	251	251	257	257	280	284	200	208	236	236	158	158	256	256	159	159	261	264
723	22	168	168	144	144	204	204	163	163	156	158	251	251	257	287	284	284	200	200	236	236	158	158	252	256	159	159	261	261
724	22	168	168	144	144	204	204	163	163	156	156	251	251	257	287	284	284	198	198	236	236	158	158	252	252	159	159	261	264
615	23	190	190	154	160	204	204	163	163	158	158	251	251	277	287	280	284	196	196	236	236	230	230	256	260	285	285	261	261
616	23	178	186	160	160	204	204	163	163	156	158	251	251	277	287	280	284	196	198	236	239	236	242	260	264	0	0	264	264
618	23	178	178	160	160	204	204	163	165	158	158	248	251	277	287	280	284	196	198	236	239	236	242	256	260	0	0	261	264
619	23	190	190	160	160	204	204	163	163	158	158	248	251	267	287	284	284	196	198	239	239	230	242	256	260	0	0	261	264
620	23	168	168	154	160	204	204	163	165	158	158	251	251	287	287	280	284	196	196	236	236	236	254	260	264	285	285	261	264
621	23	168	178	160	160	204	204	163	165	156	158	248	251	287	287	284	284	198	198	239	239	236	236	260	264	0	0	261	264
622	23	178	186	160	160	204	204	163	163	156	156	251	251	287	287	280	280	196	198	236	239	236	242	256	264	0	0	261	264
623	23	178	186	160	160	204	204	163	163	156	156	251	251	287	287	280	284	198	198	239	239	236	236	256	264	0	0	261	264
624	23	188	188	146	160	204	204	163	163	156	156	251	251	287	287	280	284	196	196	236	236	242	254	252	252	0	0	261	264
625	23	190	190	158	160	204	204	163	163	158	158	248	251	277	287	280	284	198	198	236	239	236	236	264	264	0	0	261	264
626	23	178	186	158	160	204	204	163	163	156	156	251	251	287	287	280	284	198	198	239	239	236	236	256	264	0	0	261	264
627	23	186	186	158	160	204	204	163	163	156	158	248	251	277	277	280	284	198	198	236	239	230	236	0	0	0	0	261	264
628	23	178	186	158	160	204	204	163	163	156	158	251	251	277	287	280	284	196	196	236	236	158	158	256	256	0	0	261	264

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
736	23	186	186	146	160	204	204	163	163	158	158	251	251	267	287	280	280	196	196	236	239	230	230	256	256	159	159	261	261
737	23	168	186	144	160	0	0	163	163	156	158	251	251	277	277	280	284	196	196	236	236	158	158	252	264	159	159	261	261
738	23	178	178	154	158	204	204	163	165	158	158	251	251	277	287	280	284	198	198	236	239	230	236	260	260	177	285	261	264
739	23	168	186	154	154	204	204	165	165	156	158	251	251	277	287	284	284	196	198	236	239	224	236	264	264	285	285	261	264
740	23	168	178	160	160	204	204	165	165	156	158	248	251	287	287	284	284	198	198	239	239	236	236	260	264	0	0	261	264
741	23	166	166	160	160	0	0	163	163	156	158	248	251	277	287	280	284	196	198	236	239	236	242	0	0	0	0	264	264
742	23	166	186	144	154	204	204	163	163	156	158	251	251	267	287	272	280	200	200	236	236	158	230	256	260	159	285	261	261
743	23	166	178	160	160	0	0	163	163	156	158	248	251	277	287	280	280	196	196	236	236	236	236	256	264	0	0	261	261
744	23	178	186	146	154	204	204	163	163	158	158	248	251	267	277	280	284	196	196	236	236	230	230	256	260	285	285	261	261
831	24	178	186	146	146	204	204	163	163	156	158	248	251	277	287	272	284	196	196	236	236	242	242	256	260	0	0	261	261
832	24	178	178	160	160	204	204	163	165	158	158	248	251	282	287	284	284	196	196	236	236	158	158	256	260	0	0	261	264
833	24	186	186	146	154	204	204	165	165	158	158	251	251	272	287	280	280	198	200	239	239	230	254	256	264	285	285	261	264
834	24	178	186	160	160	204	204	165	165	156	158	248	251	277	287	280	284	196	196	236	236	158	230	252	260	0	0	261	264
835	24	168	168	146	146	204	204	163	163	156	158	251	251	267	277	272	284	196	196	236	236	158	242	260	260	0	0	261	261
836	24	178	186	160	160	204	204	163	165	156	158	248	251	267	277	284	284	196	196	236	236	158	230	256	260	0	0	261	264
837	24	178	186	146	146	204	204	163	165	156	158	251	251	267	287	284	284	196	196	236	236	158	158	256	256	0	0	261	261
839	24	178	186	160	160	204	204	165	165	156	158	248	251	282	287	280	284	198	198	236	236	158	158	256	260	0	0	261	261
840	24	178	186	154	160	204	204	163	165	156	156	251	251	277	287	280	284	196	196	236	236	230	254	260	264	285	285	264	264
841	24	178	186	154	160	204	204	163	165	156	158	251	251	267	287	280	284	200	200	236	236	230	254	260	260	285	285	261	264
842	24	178	186	160	160	204	204	163	165	158	158	251	251	277	287	280	284	196	196	236	236	230	254	260	260	0	0	264	264
843	24	168	168	146	154	204	204	163	163	158	158	251	251	267	277	272	284	196	196	236	236	158	254	256	260	0	0	0	0
844	24	178	178	160	160	204	204	163	165	156	158	248	251	277	287	284	284	196	196	236	236	158	254	260	260	0	0	261	264
845	24	178	186	160	160	204	204	163	165	158	158	248	251	267	287	280	284	198	198	236	236	158	254	260	264	0	0	261	261
846	24	178	186	154	160	204	204	163	165	158	158	248	251	267	277	280	284	198	198	236	239	230	236	256	260	285	285	261	264
847	24	168	168	160	160	204	204	155	163	156	156	251	251	257	287	280	284	196	196	236	236	230	254	256	264	0	0	261	264
848	24	186	186	146	170	204	204	163	163	156	158	251	251	267	277	272	284	196	196	236	236	242	254	256	260	0	0	261	264
5700	25	186	186	160	160	204	206	163	163	156	158	248	251	257	287	272	280	196	198	236	239	230	236	260	264	0	0	261	261
538	25	186	186	158	158	204	206	163	163	156	158	248	251	277	287	272	280	196	198	236	239	230	236	260	264	0	0	261	261

Sample	Pop	B3-2		B15-1		B20-5		B38-1		B34-2		Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6		Ioo5	Ioo4		Ioo3		Ioo2						
539	25	188	188	154	154	204	206	163	163	158	158	248	251	257	267	272	280	196	200	236	236	236	248	256	260	285	285	261	261
540	25	166	186	152	160	204	206	163	163	156	158	248	248	267	287	272	280	198	200	236	236	230	230	256	260	291	291	0	0
541	25	186	186	160	160	204	204	163	163	156	156	224	251	267	277	280	280	196	196	236	239	236	236	260	260	0	0	0	0
542	25	186	186	160	160	204	204	163	163	156	158	224	251	267	287	280	280	196	196	236	236	230	236	260	260	0	0	261	261
543	25	186	186	154	160	204	206	163	163	158	158	248	251	257	287	272	280	196	196	239	239	236	236	264	268	285	285	261	261
544	25	186	186	154	160	204	204	163	163	156	156	248	251	277	287	280	280	196	198	236	239	236	236	260	264	285	285	261	261
545	25	186	186	154	160	204	206	163	163	158	160	251	251	277	287	272	280	196	196	236	239	230	236	268	268	285	285	261	261
546	25	186	186	154	160	204	204	163	163	158	158	251	251	277	287	280	280	196	196	236	239	230	236	260	264	285	285	261	261
547	25	186	186	160	160	206	206	163	163	158	160	248	251	267	277	272	272	198	198	236	236	230	230	256	264	0	0	261	261
548	25	186	186	152	160	204	206	163	163	158	158	251	251	267	277	272	280	196	196	239	239	206	236	256	268	285	285	261	261
549	25	186	186	152	160	204	206	163	163	156	158	251	251	257	277	272	280	196	196	236	239	230	236	264	268	285	285	261	261
550	25	178	186	150	154	204	204	163	163	158	158	248	251	267	267	280	284	196	196	236	239	206	254	256	260	285	285	261	261
551	25	186	186	158	160	204	206	163	163	158	158	251	251	257	277	272	280	196	198	236	236	230	230	260	260	0	0	261	261
552	25	188	188	150	160	204	206	163	163	158	158	248	251	257	257	272	280	196	196	236	236	230	236	264	264	0	0	261	261
553	25	188	188	158	160	204	206	163	163	158	158	248	251	257	257	272	280	196	198	236	239	230	236	260	260	0	0	261	261
554	25	188	188	160	160	206	206	163	163	158	158	248	251	257	267	272	272	196	196	236	239	236	236	0	0	0	0	0	0
555	25	186	186	150	160	204	206	163	163	156	158	248	251	257	267	272	280	196	196	239	239	236	236	260	264	0	0	261	261
556	25	188	188	150	160	204	206	163	163	158	158	224	248	257	257	272	280	196	198	236	239	236	236	260	260	0	0	261	261
557	25	188	188	154	160	204	206	163	163	156	158	251	251	267	277	272	280	200	200	236	239	236	248	256	260	285	285	261	261
558	25	186	186	150	160	204	206	163	163	156	158	248	251	257	267	272	280	196	196	239	239	236	236	260	264	0	0	261	261
559	25	182	186	154	160	204	204	163	163	158	158	248	251	257	267	272	280	196	196	236	239	206	236	252	260	285	285	261	261
562	25	186	186	154	160	204	206	163	163	158	158	251	251	267	287	272	280	196	196	239	239	206	236	264	264	285	285	261	261
563	25	188	188	150	160	206	206	163	163	156	158	248	251	267	287	272	272	196	198	236	239	230	236	256	260	171	171	261	261
564	25	166	166	152	160	204	206	163	163	156	158	248	251	257	257	272	284	196	196	236	239	230	248	0	0	291	291	261	261
565	25	178	186	148	160	204	204	163	163	158	158	248	251	267	277	280	284	196	196	236	239	236	236	256	264	0	0	261	261
566	25	166	186	160	160	204	206	0	0	158	160	224	251	0	0	0	0	196	196	0	0	230	236	0	0	0	0	261	264
569	25	186	186	160	160	204	206	163	163	156	158	248	251	257	287	272	280	196	198	236	239	230	236	260	264	0	0	261	261
570	25	182	186	146	154	204	204	163	163	158	158	251	251	257	277	272	280	196	196	236	236	236	236	252	260	285	285	261	261

Sample	Pop	B3-2		B15-1		B20-5		B38-1		B34-2		Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2									
725	25	166	186	150	160	204	206	163	163	156	158	224	248	267	277	272	280	196	196	236	236	236	236	260	260	159	159	261	261
726	25	186	186	160	160	0	0	163	163	158	158	248	248	257	277	280	280	196	204	236	239	230	236	252	260	159	159	261	261
727	25	166	186	154	160	204	206	163	163	156	158	224	248	257	267	272	280	196	200	236	236	236	248	256	260	285	285	261	261
728	25	186	186	150	154	0	0	163	163	158	158	251	251	267	277	280	280	196	196	239	239	236	236	252	260	285	285	261	261
729	25	186	186	150	160	204	204	163	163	156	158	248	248	257	267	280	280	196	196	236	239	236	236	260	264	0	0	261	261
730	25	186	186	150	160	0	0	163	163	158	158	248	251	257	257	272	280	196	204	236	239	230	236	252	264	159	159	261	261
731	25	186	186	150	154	204	204	163	163	156	158	248	251	257	287	280	280	196	196	239	239	230	230	252	260	285	285	261	261
732	25	186	186	150	154	204	204	163	163	156	158	248	251	257	267	280	280	196	196	239	239	206	236	260	260	285	285	261	261
733	25	186	186	160	160	204	204	163	163	156	158	248	251	262	267	280	280	196	196	236	239	236	236	252	264	159	159	261	261
734	25	186	186	160	160	204	206	163	163	156	158	248	251	257	267	272	280	196	196	236	239	236	236	260	264	0	0	261	261
735	25	186	186	154	160	204	206	163	163	156	158	248	251	257	267	272	280	196	196	236	239	236	248	260	260	285	285	261	261
501	26	186	186	144	158	204	204	163	163	158	158	251	251	287	287	272	280	196	198	236	236	230	236	252	256	159	159	264	264
502	26	186	186	152	158	204	204	163	163	156	158	248	248	287	287	280	280	196	196	236	236	242	254	256	260	285	285	261	264
503	26	186	186	146	148	204	204	163	165	156	158	248	251	287	287	280	280	196	204	236	236	230	236	252	260	0	0	264	264
504	26	186	186	146	158	204	204	163	163	158	158	251	251	272	287	280	280	196	200	236	236	188	242	260	264	0	0	261	264
505	26	186	186	156	158	204	204	163	163	156	158	248	248	287	287	280	280	196	204	236	236	158	242	260	260	177	177	261	264
506	26	186	186	152	156	204	204	0	0	156	158	248	248	277	287	280	280	196	196	236	236	242	242	256	260	177	177	261	261
507	26	178	178	156	156	204	204	163	163	156	158	248	251	267	287	280	284	196	208	236	236	158	158	256	260	177	177	261	264
508	26	186	186	146	152	204	204	163	163	158	158	248	248	277	287	280	280	196	196	236	236	242	254	256	260	285	285	0	0
509	26	186	186	148	152	204	204	163	165	156	156	248	251	287	287	280	280	196	204	236	236	158	230	252	260	285	285	261	261
510	26	0	0	146	158	204	204	163	165	158	162	248	251	282	287	280	284	196	204	236	236	158	242	256	260	0	0	261	261
511	26	186	186	152	158	204	204	163	163	158	158	248	251	267	267	280	280	196	204	236	236	230	242	260	260	171	171	267	267
512	26	166	166	152	156	204	204	0	0	158	160	248	248	287	287	280	284	196	196	236	236	230	242	256	260	177	285	261	261
513	26	186	186	146	152	204	204	163	163	158	158	248	248	287	287	280	280	196	196	236	236	236	254	260	260	285	285	264	264
514	26	178	186	158	158	204	204	163	163	156	162	251	251	287	287	280	284	196	198	236	236	254	254	260	260	0	0	261	261
515	26	166	166	148	158	204	204	163	165	156	158	251	251	267	287	272	280	196	204	236	236	158	230	252	252	0	0	261	264
578	27	186	186	144	146	204	204	163	163	158	158	248	251	277	287	280	280	196	196	236	236	236	242	256	260	159	159	261	261
579	27	188	188	158	160	204	206	163	163	156	158	251	251	277	287	276	280	196	196	236	236	242	254	252	256	0	0	261	264

Sample	Pop	B3-2		B15-1		B20-5		B38-1		B34-2		Ioo16		Ioo10		Ioo8		Ioo7		Ioo6		Ioo5		Ioo4		Ioo3		Ioo2	
580	27	186	186	144	160	204	206	163	165	156	158	251	251	257	277	272	280	196	196	236	236	158	158	252	264	159	159	261	264
581	27	186	186	160	160	204	204	163	163	156	158	248	251	277	277	280	284	198	198	236	239	158	158	260	264	0	0	261	264
582	27	186	186	158	160	204	206	163	163	156	158	248	248	277	287	276	280	208	208	236	236	242	254	256	256	0	0	261	264
636	27	188	188	146	160	204	204	163	163	158	158	248	251	277	287	280	280	196	198	239	239	164	164	256	260	0	0	261	264
637	27	188	188	146	160	204	204	163	163	158	158	251	251	277	277	280	280	200	200	236	236	164	164	256	260	0	0	261	261
638	27	186	186	144	144	204	206	163	163	156	158	248	251	267	277	272	280	198	198	239	239	230	242	260	264	159	159	261	261
639	27	0	0	148	148	202	202	0	0	0	0	248	248	0	0	284	284	196	196	0	0	200	200	0	0	0	0	0	0
640	27	188	188	158	160	204	204	163	163	158	158	251	251	277	287	280	280	196	196	236	239	158	164	256	256	171	171	261	261
641	27	186	186	160	160	204	204	163	163	158	158	248	251	277	287	280	280	196	196	236	239	158	164	260	264	0	0	261	261
643	27	0	0	158	160	204	204	163	163	156	156	248	251	277	287	280	280	198	198	236	236	236	248	256	256	0	0	261	264
644	27	186	186	160	160	204	204	163	163	156	158	248	251	287	287	280	280	198	198	236	239	230	242	256	256	0	0	261	264
583	27	186	186	144	146	204	204	163	163	156	158	248	251	277	287	280	280	196	198	236	239	230	242	256	256	159	159	261	261
584	27	186	186	144	160	204	204	163	163	156	158	248	251	277	277	280	280	198	198	236	239	230	242	256	256	159	159	261	261
585	27	186	186	144	160	204	206	163	163	156	156	251	251	277	287	272	280	198	198	236	239	230	236	256	264	159	159	261	261
586	27	186	186	144	144	204	206	163	163	160	160	248	248	267	287	272	280	198	198	236	239	230	236	260	264	159	159	261	264
587	28	186	186	144	156	204	204	163	163	156	158	251	251	277	287	280	280	200	200	236	236	242	254	252	256	159	159	261	264
588	28	186	186	144	156	204	204	163	163	156	158	251	251	277	287	280	280	200	200	236	236	242	254	252	256	159	159	261	264
589	28	168	168	156	158	204	206	163	163	156	158	251	251	277	287	272	284	196	196	236	236	242	242	252	252	177	177	261	264
590	28	166	168	144	156	204	206	163	163	156	158	251	251	277	287	272	280	196	200	236	236	242	254	252	252	159	177	264	264
591	28	166	168	144	156	204	204	163	163	158	158	248	251	267	287	280	284	196	196	236	236	158	248	252	264	159	177	261	264
592	28	186	186	144	158	204	204	163	165	156	158	251	251	287	287	280	280	196	204	236	236	158	158	252	256	159	159	261	264
593	28	166	168	158	158	204	204	163	163	158	158	248	251	267	287	280	284	196	196	236	236	242	254	252	264	0	0	261	261
594	28	168	178	144	158	204	204	163	163	156	156	248	251	267	287	284	284	196	208	236	236	236	254	252	260	159	159	261	264
595	28	178	178	158	158	204	204	163	163	156	158	248	251	277	277	284	284	196	196	236	236	164	236	260	260	0	0	261	261
596	28	166	178	144	158	204	204	163	165	156	158	251	251	277	277	280	284	200	200	236	236	158	254	252	256	159	159	261	264
597	28	166	168	144	158	204	206	163	163	156	158	251	251	277	287	272	284	196	200	236	236	158	158	252	264	159	177	261	264
598	28	186	186	144	154	204	206	165	165	158	158	251	251	287	287	272	280	200	204	236	236	158	158	252	256	159	159	264	264
599	29	178	182	150	152	204	204	163	163	156	158	248	251	267	267	272	272	196	196	236	236	236	248	0	0	291	291	261	264

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
600	29	178	186	146	148	204	204	163	163	156	158	224	248	267	272	272	196	196	236	236	248	248	252	260	0	0	261	261	
601	29	182	186	146	160	206	206	163	165	156	158	224	251	257	257	272	272	196	196	236	239	188	206	248	248	0	0	261	264
602	29	186	186	154	160	206	206	155	163	156	156	224	251	257	272	272	196	196	239	239	206	242	256	260	285	285	261	264	
604	29	0	0	152	160	204	204	165	165	156	158	248	248	257	257	272	284	196	196	236	236	242	248	252	256	291	291	261	264
605	29	188	188	146	146	204	204	163	163	158	158	224	248	257	257	272	276	200	200	236	236	236	248	252	260	0	0	264	264
606	29	188	188	146	150	204	204	163	163	158	160	248	248	257	267	272	284	196	196	236	236	236	248	260	260	291	291	264	264
607	29	188	188	146	152	204	204	163	163	156	158	248	251	257	267	272	284	196	196	236	236	248	248	260	260	291	291	261	264
608	29	186	186	146	146	204	206	155	163	158	158	248	248	257	267	272	272	200	200	236	236	158	236	0	0	0	0	261	264
609	29	182	186	160	160	204	204	163	165	158	158	248	251	257	267	272	284	196	196	236	239	242	248	252	260	0	0	261	264
610	29	188	188	152	152	204	204	165	165	158	160	248	248	257	267	272	284	196	196	236	236	242	248	256	260	291	291	261	261
611	29	188	188	146	154	204	204	163	163	156	158	248	251	257	267	272	272	196	196	236	236	242	248	252	260	285	285	261	264
612	29	178	186	148	150	204	206	163	165	156	158	0	0	257	257	272	284	196	200	236	236	230	248	252	260	291	291	261	264
613	29	186	186	146	146	206	206	163	165	156	158	224	248	287	287	272	272	196	196	236	236	206	248	252	260	0	0	261	261
614	29	188	188	152	154	204	204	163	163	156	158	248	248	257	267	272	284	196	196	236	236	236	248	252	260	285	291	264	264
667	29	178	186	146	160	204	204	163	165	156	156	224	248	267	287	276	280	200	208	236	239	236	248	252	256	0	0	0	0
668	29	166	166	146	152	204	204	163	165	156	158	248	248	257	257	284	284	196	198	236	236	242	248	256	260	291	291	261	261
669	29	166	166	146	148	204	204	163	165	156	156	248	248	257	287	272	284	200	208	236	236	158	248	260	260	0	0	261	264
670	29	182	186	154	154	206	206	163	163	156	158	248	251	257	257	272	284	196	196	236	236	242	242	252	252	285	285	261	261
671	29	178	182	150	154	204	204	163	163	156	158	248	251	257	267	272	272	200	200	236	236	158	236	252	260	285	285	261	264
672	29	178	186	146	148	204	204	155	163	156	156	248	251	267	267	272	272	208	208	236	236	158	158	252	252	0	0	261	261
673	29	166	166	150	160	204	206	163	165	158	158	248	248	257	287	272	272	196	196	236	236	248	248	252	260	291	291	261	261
674	29	184	186	146	146	204	204	163	163	156	158	248	248	257	267	272	272	196	196	236	239	158	242	252	252	0	0	0	0
675	29	182	186	144	146	206	206	163	165	158	158	248	248	267	277	272	272	196	196	236	236	242	242	260	264	159	159	267	270
676	29	182	186	150	154	206	206	163	165	156	156	251	251	257	257	272	284	196	196	236	239	230	242	264	264	285	285	261	264
677	29	178	186	150	154	204	206	163	165	156	158	251	251	257	257	272	272	196	196	236	236	242	242	252	264	285	285	0	0
573	30	188	188	144	160	204	204	163	165	158	158	251	251	257	262	284	288	196	196	236	239	158	158	248	252	159	159	264	264
574	30	176	182	144	160	204	204	165	165	156	158	248	251	257	257	272	284	198	198	239	239	158	158	248	256	159	159	264	264
575	30	188	188	150	160	204	204	163	165	156	158	248	251	257	262	272	288	198	198	236	239	248	254	248	256	291	291	0	0

Sample	Pop	B3-2		B15-1		B20-5		B38-1		B34-2		Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6		Ioo5	Ioo4		Ioo3		Ioo2						
576	30	188	188	152	152	204	204	163	165	160	160	251	251	262	262	284	288	196	196	236	239	158	254	248	252	291	291	264	264
577	30	178	186	160	160	204	206	163	163	156	158	251	251	257	257	276	284	196	196	236	236	242	248	248	260	0	0	264	264
777	30	178	182	160	160	204	204	163	165	156	156	248	251	257	257	272	284	196	196	236	236	248	254	256	260	0	0	264	264
778	30	176	186	160	160	204	206	163	163	158	158	251	251	257	262	276	284	196	208	236	239	158	248	248	260	0	0	264	264
780	30	178	182	146	160	204	204	163	163	156	158	248	251	262	262	272	284	194	194	236	239	206	254	0	0	0	0	264	264
781	30	178	178	152	160	204	204	163	165	156	158	251	251	257	262	284	284	196	196	236	236	158	254	248	260	291	291	264	264
782	30	166	166	152	160	204	206	163	165	156	158	251	251	257	257	276	288	196	198	236	239	248	248	248	252	291	291	264	264
783	30	176	182	152	160	204	204	163	163	156	156	248	251	257	262	272	284	196	198	236	239	248	248	256	256	291	291	264	264
784	30	182	186	160	160	204	206	163	163	156	156	248	251	257	262	276	288	196	198	236	239	158	248	256	260	0	0	264	264
785	30	166	176	152	160	204	204	165	165	158	158	251	251	262	267	280	284	198	208	239	239	158	230	252	260	0	0	0	0
786	30	166	178	152	160	204	204	165	165	158	158	251	251	262	267	284	284	198	208	239	239	158	230	248	252	291	291	264	264
787	30	182	186	160	160	206	206	163	163	156	156	251	251	257	262	272	276	196	196	236	239	158	254	256	260	0	0	264	264
788	30	182	186	160	160	206	206	163	163	156	156	251	251	257	262	272	276	196	196	236	239	158	254	256	260	0	0	264	264
789	30	176	186	160	160	204	206	163	163	156	156	251	251	257	262	276	284	196	198	236	239	158	248	256	260	0	0	264	264
790	30	178	178	152	160	204	204	165	165	156	158	248	251	257	262	284	284	196	196	236	239	158	248	248	260	291	291	264	264
629	31	186	186	160	160	204	204	163	165	156	158	248	251	257	262	280	280	198	198	239	239	230	242	260	260	0	0	264	264
630	31	178	186	144	160	204	204	163	165	156	158	248	251	257	277	280	284	198	198	236	239	242	242	260	260	159	159	264	264
631	31	178	186	144	160	204	204	163	163	156	156	248	248	267	277	280	284	198	198	239	239	230	242	252	260	159	159	261	261
632	31	178	186	144	146	204	204	163	163	156	158	248	248	267	277	280	284	196	196	236	239	230	242	248	252	159	159	261	261
633	31	178	186	146	146	204	204	163	163	158	158	248	248	257	277	280	284	196	198	236	239	242	242	248	260	159	159	270	270
634	31	178	186	144	146	204	204	163	163	158	160	248	248	267	272	280	284	196	196	236	239	230	242	252	260	159	159	264	264
635	31	188	188	146	146	204	204	163	165	156	158	248	251	257	277	276	284	196	198	236	239	242	242	248	252	0	0	261	261
792	31	186	186	144	160	204	204	163	163	156	158	248	251	262	277	280	280	176	176	239	239	230	230	252	260	159	159	261	264
793	31	176	178	146	160	204	204	163	165	156	162	248	248	262	277	272	284	198	208	239	239	242	242	260	260	0	0	264	264
794	31	166	166	146	152	204	204	163	163	158	158	251	251	257	267	272	272	196	196	236	236	242	242	264	264	291	291	264	264
795	31	186	186	146	160	204	206	163	163	156	158	248	248	277	277	272	280	198	198	236	239	248	248	260	260	159	159	264	264
796	31	186	186	144	160	204	204	163	163	156	158	248	251	262	277	280	280	196	196	239	239	230	230	252	260	159	159	261	264
645	32	168	178	146	160	204	204	163	165	158	158	248	248	257	267	276	284	196	200	236	236	236	242	260	260	0	0	264	264

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
646	32	190	190	150	152	204	204	163	163	158	158	248	251	257	257	284	284	196	200	236	236	242	248	256	260	291	291	261	264
647	32	188	190	146	146	204	204	163	163	158	158	248	251	257	267	272	284	196	196	236	236	242	248	260	264	0	0	264	264
648	32	186	186	150	150	204	206	163	163	158	158	248	251	257	267	272	284	200	200	236	236	242	242	256	256	0	0	261	261
649	32	188	188	152	154	204	204	155	163	156	158	251	251	257	267	272	272	196	196	236	236	206	242	260	264	285	291	261	264
650	32	188	190	146	152	204	204	163	163	158	158	248	251	257	267	272	284	196	196	236	236	242	248	260	264	291	291	264	264
653	32	188	190	146	152	204	204	163	163	158	158	248	251	257	267	272	284	196	196	236	236	242	242	264	264	291	291	264	264
654	32	188	188	152	154	204	204	0	0	156	158	251	251	257	267	272	272	196	196	236	236	206	242	260	264	285	291	261	264
655	32	190	190	146	148	204	204	163	163	156	158	248	248	257	267	272	284	196	196	236	236	242	242	260	260	0	0	261	264
656	32	188	188	146	150	204	204	163	163	158	158	251	251	257	267	272	272	196	196	236	236	242	242	264	264	291	291	264	264
657	32	166	168	146	150	204	204	163	163	160	160	248	251	257	267	272	284	196	196	236	236	242	242	260	264	159	159	264	264
658	32	168	168	146	150	204	204	163	165	158	158	248	251	257	267	272	284	196	196	236	236	224	242	260	264	291	291	264	264
659	32	168	168	146	148	204	204	163	163	156	158	248	248	257	267	272	284	196	196	236	236	242	242	260	260	0	0	261	264
660	32	176	176	148	158	204	204	155	163	158	158	248	251	267	267	284	284	196	196	236	236	242	242	260	264	0	0	261	264
661	32	182	186	144	150	204	204	155	165	156	158	224	251	257	272	272	276	196	196	236	236	248	248	256	264	159	159	261	261
662	32	166	166	150	150	204	204	163	165	156	158	248	251	257	267	284	284	196	196	236	236	242	242	252	260	291	291	261	264
663	32	166	166	150	158	204	204	163	165	158	158	248	248	257	267	272	284	196	196	236	236	242	242	252	260	291	291	264	264
665	32	166	166	146	150	204	204	163	163	158	158	248	248	267	267	272	284	196	196	236	236	248	248	264	264	291	291	264	264
666	32	166	166	146	152	204	204	163	163	158	158	251	251	257	267	272	272	196	196	236	236	242	242	264	264	291	291	264	264
321	33	166	182	150	160	204	204	163	163	158	158	248	248	267	267	272	284	196	196	236	236	188	248	228	232	0	0	264	264
322	33	166	178	150	160	204	204	163	165	156	158	248	251	257	267	272	280	196	196	236	236	236	242	236	236	0	0	261	261
323	33	168	168	146	146	200	200	163	163	158	158	224	248	267	267	272	272	200	200	236	236	236	236	232	236	0	0	0	0
324	33	186	186	150	152	204	204	163	163	158	158	248	251	267	272	276	276	196	200	236	239	242	248	236	236	291	291	0	0
325	33	166	182	144	150	204	204	163	165	158	158	248	248	267	267	272	272	196	196	236	236	248	248	248	264	159	159	264	264
326	33	182	186	144	144	200	200	163	165	158	158	248	248	267	272	272	272	196	196	236	239	242	242	236	236	159	159	0	0
333	33	166	168	144	158	204	206	163	163	156	158	224	251	267	267	272	276	196	208	236	239	242	248	256	256	159	159	261	264
334	33	168	168	144	146	206	206	163	163	158	158	248	248	257	267	272	272	200	208	236	239	242	242	256	260	159	159	261	261
335	33	166	166	156	158	204	204	163	163	156	158	248	251	267	267	284	284	196	200	236	236	236	236	260	260	0	0	264	264
336	33	166	168	144	148	204	206	163	163	158	160	248	251	257	267	272	284	200	208	236	239	242	248	256	260	159	159	264	264

Sample	Pop	B3-2	B15-1	B20-5	B38-1	B34-2	Ioo16	Ioo10	Ioo8	Ioo7	Ioo6	Ioo5	Ioo4	Ioo3	Ioo2														
337	33	166	166	158	158	204	204	163	163	156	156	224	224	257	267	276	284	196	196	236	236	242	242	244	256	159	159	261	264
338	33	178	186	150	150	204	204	163	165	160	164	248	248	257	267	284	296	196	196	236	236	242	242	0	0	291	291	264	264
339	33	182	182	144	158	204	204	163	165	160	160	248	248	267	267	272	272	196	196	236	239	242	248	248	264	159	159	261	264
340	33	186	186	150	158	204	204	163	163	162	162	224	251	257	257	284	284	196	200	236	236	236	236	260	260	291	291	264	264
341	33	166	166	144	144	204	204	163	163	156	158	224	251	257	267	284	284	196	208	236	239	242	248	244	260	159	159	261	264
746	34	166	182	152	160	204	206	163	163	156	158	224	251	257	267	276	284	196	200	236	236	242	248	260	260	291	291	261	264
747	34	166	178	148	158	204	204	163	165	158	158	248	251	257	257	284	284	196	200	236	239	236	242	256	260	0	0	261	264
748	34	176	186	158	160	204	204	163	163	156	158	248	248	257	257	272	284	200	200	236	239	188	242	248	260	0	0	261	264
749	34	166	182	146	160	204	204	163	163	156	158	248	251	257	267	272	284	196	200	236	236	236	242	256	264	0	0	261	264
750	34	166	182	152	160	204	206	163	163	158	158	248	251	257	267	276	284	196	196	236	236	236	248	244	260	291	291	264	264
751	34	166	182	152	160	204	206	163	163	156	158	224	251	257	267	276	284	196	200	236	236	242	248	260	260	291	291	261	264
752	34	166	182	152	160	0	0	163	163	156	158	224	251	257	267	276	284	196	200	236	236	242	248	260	260	291	291	261	264
753	34	166	166	158	158	204	204	163	163	158	158	248	248	257	267	272	284	200	200	236	239	242	242	260	264	0	0	261	261
754	35	168	178	150	160	204	204	165	165	156	158	251	251	257	267	272	284	200	200	236	236	230	248	260	264	0	0	261	264
755	35	166	186	144	152	204	206	163	165	158	158	248	251	257	262	272	284	200	200	236	236	230	248	248	264	159	291	261	264
756	35	176	182	146	160	0	0	163	163	156	158	248	251	267	287	272	276	196	196	236	236	188	236	248	260	0	0	261	264
757	35	182	186	152	160	204	206	163	163	158	158	224	224	257	257	276	284	196	196	236	236	236	248	260	260	291	291	264	264
759	35	0	0	0	0	0	0	0	0	156	158	0	0	0	0	0	0	0	0	221	221	0	0	0	0	0	0	0	0
760	35	168	182	148	160	0	0	163	163	156	158	248	248	257	287	272	276	196	196	236	236	236	236	0	0	0	0	261	261
761	35	182	182	146	160	0	0	163	163	156	156	248	248	257	267	276	276	196	196	236	236	236	236	260	260	0	0	261	261
762	35	168	182	146	160	206	206	0	0	156	156	248	251	257	267	272	276	196	196	236	236	188	236	260	260	0	0	261	264
799	36	168	168	160	160	206	206	163	165	156	162	251	251	257	262	272	272	196	208	236	239	242	248	252	264	159	159	261	264
800	36	178	182	152	160	204	204	163	165	158	158	248	251	267	277	284	284	196	208	236	239	248	248	252	264	291	291	264	264
801	36	168	178	144	152	204	204	163	165	158	162	248	251	262	267	272	284	196	208	236	239	230	248	260	264	159	159	264	264
802	36	178	186	152	160	204	204	163	163	158	158	248	251	267	277	272	284	208	208	236	239	242	248	252	264	291	291	261	264
803	36	178	186	160	160	204	206	163	165	156	158	251	251	267	277	272	284	200	208	236	239	248	248	260	264	0	0	261	264
804	36	166	178	150	160	204	204	163	165	156	158	251	251	262	267	276	284	200	200	236	239	230	248	0	0	0	0	0	0
805	36	168	168	144	160	206	206	165	165	156	156	251	251	257	267	272	272	200	208	236	236	230	248	260	260	159	159	261	264

Sample	Pop	B3-2		B15-1		B20-5		B38-1		B34-2		Ioo16		Ioo10		Ioo8		Ioo7		Ioo6		Ioo5		Ioo4		Ioo3		Ioo2	
806	36	166	178	144	152	204	204	165	165	158	162	251	251	257	267	276	284	208	208	239	239	248	248	252	264	159	159	261	264
807	36	166	178	144	160	204	204	163	163	158	162	248	251	262	277	276	284	208	208	236	239	230	248	0	0	159	159	0	0
808	36	166	166	144	160	204	204	163	165	158	162	248	251	262	267	276	284	196	196	236	239	248	248	252	252	159	159	261	264
818	36	166	186	160	160	204	204	163	165	156	158	248	248	257	267	272	284	200	200	236	239	236	248	0	0	0	0	0	0
885	37	186	186	150	152	0	0	165	165	158	158	248	248	267	267	272	272	196	196	236	236	242	242	256	264	285	303	0	0
886	37	168	168	152	152	204	204	163	163	158	162	248	251	267	267	272	284	196	200	236	239	242	242	260	268	0	0	261	264
887	37	166	166	152	154	204	204	163	165	158	162	248	251	267	277	272	272	196	196	236	236	242	242	260	260	285	285	261	264
888	37	168	168	152	152	212	212	165	165	158	160	248	251	257	267	272	272	196	196	236	236	242	242	260	268	291	291	264	264
889	37	186	186	150	150	0	0	163	163	162	162	251	251	267	267	272	272	196	196	236	236	242	242	256	260	303	303	261	264
890	37	186	186	152	154	212	212	163	165	158	162	248	248	257	267	272	272	196	196	236	236	236	242	260	268	285	285	264	264
891	37	168	168	150	152	204	212	163	163	158	158	251	251	257	257	272	284	196	196	236	236	242	242	260	268	285	303	264	264
892	37	186	186	152	154	212	212	165	165	158	158	248	248	257	267	272	272	196	196	236	236	242	242	256	268	285	303	264	264
893	37	166	166	154	154	204	204	163	165	158	158	248	251	257	257	272	284	196	196	236	236	242	242	260	260	285	285	264	264
894	37	186	186	150	152	0	0	163	165	158	158	248	248	257	267	272	272	196	208	236	239	242	242	260	268	285	303	261	264
895	37	178	178	150	152	204	212	163	163	158	162	248	248	257	267	272	284	196	196	236	236	242	242	260	268	291	303	264	264
896	37	168	168	150	152	204	212	163	165	158	162	248	251	257	257	272	284	196	196	236	236	242	242	260	264	285	303	264	264
897	37	178	178	150	152	204	212	163	163	158	162	248	248	257	257	272	284	196	196	236	236	242	242	260	260	291	303	264	264
898	37	168	178	152	154	212	212	163	165	158	162	248	248	267	267	272	272	196	196	236	236	242	242	260	268	285	291	264	264
899	37	178	178	150	152	204	212	163	163	158	162	248	248	257	267	272	284	196	196	236	236	242	242	260	268	291	303	264	264
900	37	0	0	152	154	204	212	163	163	158	162	248	251	257	257	272	284	196	196	236	236	242	242	260	260	285	291	264	264
901	37	168	168	152	154	204	212	163	165	158	162	248	251	257	277	272	284	196	196	236	236	242	242	256	268	285	291	261	264
902	37	166	168	152	154	204	204	163	165	158	162	248	251	267	277	272	284	196	208	236	236	242	242	256	260	285	285	261	264
903	37	0	0	152	152	212	212	163	163	158	162	248	248	257	267	272	272	196	196	236	236	242	242	260	268	291	303	261	264
904	37	166	166	150	152	204	204	163	165	158	162	248	248	257	267	272	284	196	196	236	236	242	242	260	260	303	303	264	264
327	38	182	182	156	156	0	0	165	165	158	160	248	254	267	267	272	280	194	194	0	0	182	236	0	0	0	0	261	264
874	38	166	166	152	154	0	0	165	165	158	158	248	251	267	282	272	272	194	208	236	239	230	230	256	256	309	309	261	264
875	38	166	166	154	154	0	0	165	165	156	158	248	251	267	282	272	272	192	194	236	239	182	230	256	256	309	309	261	264
876	38	182	182	0	0	204	204	165	165	158	158	251	251	282	282	272	280	208	208	236	236	182	182	0	0	309	309	261	264

Sample	Pop	B3-2		B15-1		B20-5		B38-1		B34-2		Ioo16		Ioo10		Ioo8		Ioo7		Ioo6		Ioo5		Ioo4		Ioo3		Ioo2	
877	38	0	0	154	154	204	204	165	165	156	158	251	254	0	0	272	280	194	194	236	236	182	236	256	256	0	0	264	264
878	38	166	166	154	154	0	0	165	165	158	158	251	251	267	282	272	272	194	198	236	239	182	230	256	256	315	315	261	264
879	38	166	166	152	154	0	0	165	165	156	158	251	251	257	282	272	272	192	196	236	239	182	230	256	256	315	315	261	264
880	38	166	166	152	154	206	206	165	165	158	158	251	251	267	282	272	272	208	208	236	236	182	230	256	268	315	315	264	264
881	38	0	0	152	154	0	0	165	165	156	158	0	0	282	282	0	0	198	208	236	236	0	0	260	260	0	0	0	0
882	38	0	0	152	154	204	204	165	165	156	158	251	251	282	282	272	280	194	208	236	239	230	230	256	256	315	315	261	264
883	38	166	166	152	154	0	0	165	165	156	158	251	251	267	282	272	280	194	208	236	239	230	230	256	260	315	315	261	264
884	38	182	182	152	154	204	204	165	165	156	158	254	254	282	282	272	280	194	198	236	239	230	230	0	0	315	315	264	264
328	39	182	182	0	0	200	200	163	163	158	158	248	248	257	257	284	296	0	0	236	236	170	170	0	0	0	0	261	264
329	39	170	170	152	156	200	200	163	163	160	160	248	251	257	282	284	296	196	208	236	236	170	266	236	236	0	0	0	0
330	39	0	0	152	152	204	206	163	163	160	160	245	248	257	257	284	284	208	208	236	236	170	170	248	248	0	0	264	264
331	39	182	182	146	152	200	200	163	163	160	160	248	248	257	257	284	284	208	208	236	236	266	266	236	236	297	297	0	0
332	39	182	182	152	156	200	206	163	163	160	160	245	245	257	257	284	284	194	194	236	236	170	170	248	248	297	297	264	264
861	39	182	182	152	154	204	206	163	163	158	158	248	248	257	257	284	296	208	208	236	236	170	170	248	256	297	297	264	264
862	39	182	182	152	154	204	204	163	163	158	158	248	248	257	257	276	296	194	208	236	236	170	170	248	256	297	297	264	264
863	39	182	182	152	154	206	206	163	163	158	158	248	248	257	257	284	284	208	208	236	236	0	0	248	256	297	297	264	264
864	39	0	0	152	152	0	0	163	163	158	158	0	0	257	257	0	0	208	208	236	236	0	0	248	248	0	0	0	0
865	39	0	0	152	154	206	206	163	163	158	158	248	248	257	257	284	284	208	208	236	236	170	170	248	256	297	297	264	264
866	39	182	182	152	154	206	206	163	163	158	158	248	248	257	257	276	284	208	208	236	236	170	170	248	256	297	297	264	264
867	39	182	182	152	154	206	206	163	163	158	158	248	248	257	257	284	284	194	208	236	236	170	170	248	248	297	297	264	264
868	39	196	196	152	154	204	206	161	163	158	158	248	251	257	257	288	288	208	208	236	236	170	170	248	248	303	303	267	267
869	39	182	182	152	154	204	206	163	163	158	158	251	251	257	257	288	300	208	208	236	236	170	170	248	248	303	303	267	267
870	39	182	182	152	154	206	206	163	163	158	158	245	248	257	257	284	284	208	208	236	236	170	170	248	248	297	297	264	264
871	39	196	196	152	154	204	206	163	163	158	158	245	248	257	257	284	284	208	208	236	236	170	170	248	248	297	297	264	264
872	39	182	196	152	154	206	206	163	163	158	158	251	251	257	257	288	288	208	208	236	236	170	170	248	248	303	303	267	267
873	39	182	182	152	154	206	206	163	163	158	158	248	251	257	282	276	288	208	208	236	236	0	0	248	248	303	303	267	267
516	40	166	178	148	152	204	204	163	165	156	158	251	251	262	267	276	284	198	200	236	239	158	158	260	260	0	0	264	264
518	40	166	166	148	148	200	200	163	163	156	158	251	251	257	257	272	276	198	204	236	239	182	182	256	260	0	0	264	264

Sample	Pop	B3-2		B15-1		B20-5		B38-1		B34-2		Ioo16		Ioo10		Ioo8		Ioo7		Ioo6		Ioo5		Ioo4		Ioo3		Ioo2	
519	40	166	178	148	152	204	204	165	165	156	158	251	251	257	257	272	280	200	200	236	236	158	230	256	260	0	0	264	264
521	40	166	178	148	152	204	204	163	163	156	156	251	251	257	262	276	280	200	208	236	239	182	266	260	260	0	0	264	264
524	40	166	178	148	154	204	204	163	163	156	156	251	251	257	262	276	276	200	208	236	239	158	230	260	260	0	0	264	264
525	40	178	178	148	154	204	204	163	163	156	158	251	251	257	257	276	276	198	200	236	239	158	158	260	260	0	0	264	264
527	40	166	178	148	152	204	204	163	163	156	156	251	251	257	262	276	280	200	208	236	239	182	266	260	260	0	0	264	264
528	40	182	182	152	152	204	204	155	163	158	158	251	251	257	257	276	280	200	204	236	236	230	230	256	260	0	0	264	264
529	40	178	182	152	154	204	204	163	165	158	158	248	251	257	257	276	280	194	196	236	236	182	182	256	256	0	0	264	264
530	41	166	166	152	154	204	204	165	165	158	158	251	251	257	277	276	284	194	194	236	236	182	182	260	260	0	0	264	264
531	41	166	166	152	152	204	204	165	165	158	158	251	251	257	257	276	276	194	200	236	236	230	230	260	260	273	273	264	264
532	41	166	178	152	152	204	204	165	165	158	158	251	251	257	257	280	284	196	198	236	236	158	158	260	260	273	273	264	264
534	41	166	178	152	154	204	204	165	165	158	158	251	251	257	257	276	276	194	200	236	236	158	230	260	260	273	273	264	264
536	41	178	178	152	152	204	204	165	165	158	158	251	251	257	257	280	280	196	198	236	236	158	182	260	260	0	0	264	264
537	41	166	178	152	152	204	204	165	165	158	158	251	251	257	257	276	280	194	196	236	236	182	230	260	260	273	273	264	264
420	42	166	166	152	156	218	218	163	163	158	158	269	269	272	272	276	280	194	194	236	236	212	212	248	252	159	159	261	261
421	42	166	166	152	156	218	218	163	163	158	158	266	269	267	267	276	280	194	194	236	239	212	212	248	256	159	159	0	0
422	42	166	166	152	156	218	218	163	163	158	158	266	269	0	0	276	280	194	194	236	239	212	212	248	252	159	159	264	264
423	42	166	166	156	156	218	218	163	163	158	158	263	269	0	0	276	276	192	192	236	236	212	212	248	248	0	0	261	261
433	43	166	166	152	152	218	218	163	163	158	158	266	269	277	277	276	280	192	194	236	236	212	212	256	264	159	159	261	264
425	44	166	166	156	160	206	218	163	163	158	158	248	266	257	267	276	276	0	0	236	239	212	242	260	264	0	0	261	261
426	44	166	166	152	156	218	218	163	163	158	158	266	266	0	0	276	276	0	0	236	236	212	212	236	236	159	159	0	0
427	44	166	166	156	156	218	218	163	163	158	158	269	269	267	267	276	280	192	192	239	239	212	212	248	248	0	0	261	261
905	45	166	186	0	0	216	218	163	163	154	158	269	269	267	267	276	276	192	194	0	0	212	212	0	0	0	0	0	0
906	45	166	186	0	0	218	218	163	163	158	158	0	0	277	277	276	280	194	194	239	239	212	212	0	0	0	0	0	0
907	45	166	166	0	0	218	218	163	163	158	158	266	269	272	277	276	280	194	194	236	236	212	212	248	256	309	309	261	261
908	45	186	186	0	0	218	218	163	163	158	158	269	269	282	282	276	276	194	194	236	236	212	212	252	256	303	309	261	261
909	45	166	166	152	152	218	218	163	163	158	158	266	269	267	267	276	280	192	194	236	239	212	212	0	0	159	159	0	0
434	46	166	166	156	160	218	218	163	163	154	158	266	266	282	282	276	280	192	194	236	236	212	212	248	256	291	291	261	261
435	46	166	166	152	152	218	218	163	163	158	158	263	266	267	267	276	280	194	194	236	236	206	212	252	260	159	159	0	0

Sample	Pop	B3-2		B15-1		B20-5		B38-1		B34-2		Ioo16		Ioo10		Ioo8		Ioo7		Ioo6		Ioo5		Ioo4		Ioo3		Ioo2	
436	46	166	166	156	156	218	218	163	163	158	158	266	269	0	0	276	280	194	194	236	239	212	212	248	252	159	159	261	261
437	46	166	166	152	152	218	218	163	163	158	158	266	269	277	277	280	280	194	194	236	236	212	212	264	268	159	159	0	0

Chapter Five: mtDNA sequence data

>N25_MtBurr_KF_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATCATCTATAACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTTCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAAACCTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAGATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N38_MtBurr_GH_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATCATCTATAACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTTCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAAACCTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAGATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATCGCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAGTTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAAGCTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTCTATATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??
TTTTAATTACGTAGACATATAAATTCTACATATACATTAATGTCACACATACATAACAATTTCCACATACATAACAATATAACAAATACATAAATATGTATATATTACATTAATTTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATCAATACATACATA-
TAAACATTACTATATATTATAAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAACTCATATATTACATAAGACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAGACATACAATCAATGAAA
GAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACCTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATCTAAATTGACTTTTCTGGCTACTGGTT

>N96_MtBurr_BSS_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAAGCTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??
TTTTAATTACGTAGACATATAAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATAACAATTTCCACATACATAACAATATAACAAATACATAAATATGTATATATTACATTAATTTATTTTCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAGATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACCTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N98_MtBurr_MA_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT

GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTTAAAACATACATA-CAAATATTACTATATATTATAAATAAACATTCATATCTACAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N551_MtLoftyRanges_MHS_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAACATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTAATAAATTAACCCATCACTAACAAATTTCTAAATCTATTAGTTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATAACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCAGTTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTTCTACATATACATTAATGTCATAAATACATACAATTTCCACATACATAACAATATAGCAAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTTAAAACATACATA-CAAATATTACTATATATTATAAATAAACATTCATATCTACAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N591_MtLoftyRanges_WBL_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAACATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTAATAAATTAACCCATCACTAACAAATTTCTAAATCTATTAGTTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATAACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCAGTTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTTCTACATATACATTAATGTCATAAATACATACAATTTCCACATACATAACAATATAGCAAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTTAAAACATACATA-CAAATATTACTATATATTATAAATAAACATTCATATCTACAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N690_MtLoftyRanges_BNPS_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AACTCACCTACGAAAAATTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTGAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATTATCTATAACATCCACACTAACAATATTT
CATCAAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCATTCATCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAGA
ATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC????????????????????????????????????GAT-AAATGTATTTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCACTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATACAATTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAATACATAATATGTATATATTACATTAAGTTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAAATCAATTATATTAAGACATACATA-CAAATATTACTATACATCATAATAAACATTCATATCTCTAATACAT-
AACTCATATATTACATAAAACATATGATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAGGAAAGATCAAATAACCTACTTCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGCA
ATCCCTCAATCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCCTTCAGAGCAAGCCATAAAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N746_MtLoftyRanges_SCC_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AACTCACCTACGAAAAATTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATCATCTATAACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCATTCATCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC????????????????????????????????????GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCACTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATTAATGCCATAAATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAGCAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAAATCAATTATATTAACATACATA-CAAATATTACTATATATTATAATAAACATTCATATCTACAATACAT-
AACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAGGAAAGATCAAATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCCTTCAGAGCAGGCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N782_MtLoftyRanges_MtBD_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AACTCACCTACGAAAAATTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTGAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATTATCTATAACATCCACACTAACAATATTT
CATCAAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCATTCATCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC????????????????????????????????????GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCACTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATTAATGCCATAAATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAGCAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAAATCAATTATATTAACATACATA-CAAATATTACTATATATTATAATAAACATTCATATCTACAATACAT-
AACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAGGAAAGATCAAATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCCTTCAGAGCAGGCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

CATCAAACAACATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAGA
ATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCAACACCCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACAACAAGAT-
AAATGTATTTTAAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCACTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATACAATTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAAGTTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTAAGACATACATA-CAAATATTACTATATATCATAATAAACATTCATATCTCTAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAGGAAAGATCAAATAACCTACTTCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCCTTCAGAGCAAGCCCATAAAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N895_MtLoftyRanges_WW_SA.ab1

ATAATTTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAAGTTATTATTTATAAATAATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCACTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATTAATGCCATAAATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAGCAAATACATAATATGTATATATTACATTAAGTTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTAAAAACATACATA-CAAATATTACTATATATTATAAATAAACATTCATATCTACAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>D887_MtLoftyRanges_WW_SA.ab1

??
??
??
??GAT-
AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCACTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATTAATGCCATAAATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAGCAAATACATAATATGTATATATTACATTAAGTTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTAAAAACATACATA-CAAATATTACTATATATTATAAATAAACATTCATATCTACAATACAT-

AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N524_FleurieuPeninsula_ABGC_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATTATCTATACATCCACACTAACAATATTTT
CATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAGA
ATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??GAT-
AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCAGTGTGCAATTTTTAATTACGTAGACATACAATTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATACAATTCCCC
ACATACATAACAATATAACAATAACATAATATGTATATATTACATTAAGTTATTTACCCCTAGCATATAAGCTATAACAGTACATTAATCAATTATACTAAGACATACATA-
CAAATATTACTATATATCATAATAAACATTCATATCTCTAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTACTTCCTCTAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCCTTCAGAGCAAGCCATAAAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N534_FleurieuPeninsula_WADC_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATTATCTATACATCCACACTAACAATATTTT
CATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAGA
ATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??GAT-
AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCAGTGTGCAATTTTTAATTACGTAGACATACAATTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATACAATTCCCC
ACATACATAACAATATAACAATAACATAATATGTATATATTACATTAAGTTATTTACCCCTAGCATATAAGCTATAACAGTACATTAATCAATTATACTAAGACATACATA-
CAAATATTACTATATATCATAATAAACATTCATATCTCTAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTACTTCCTCTAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCCTTCAGAGCAAGCCATAAAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N861_FleurieuPeninsula_DCCP_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTGAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATTATCTATAACATCCACACTAACAATATTTT
CATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAGA
ATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC????????????????????????????????????GAT-AAATGTATTTAATATTCCAATTATTACCTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTTCA?TGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATACAATTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAAGTTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTAAGACATACATA-CAAATATTACTATATATCATAATAAACATTTCATATCTCTAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAGGAAAGATCAAATAACCTACTTCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGCA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCATAAAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N874_FleurieuPeninsula_MBCP_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTGAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATTATCTATAACATCCACACTAACAATATTTT
CATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAGA
ATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC????????????????????????????????????GAT-AAATGTATTTAATATTCCAATTATTACCTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTTCACTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATACAATTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTAAGACATACATA-CAAATATTACTATATATCATAATAAACATTTCATATCTCTAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAGGAAAGATCAAATAACCTACTTCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGCA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCATAAAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N423_KangarooIsland_KI1_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTATTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA

TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGATCATTCT??GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCACTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAAATCTATATATACATCAATGTCACAAATACATACAATCCCCCACATACATAACAATATAACGAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAACTACATTAAGACATACATA-CAAATATTGCTATATATTATAACAAACATTCATATCTCCAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCCAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCCTTCAGAGCAAGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N427_KangarooIsland_KI3_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTATTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCATTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGATCATTCT??GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCACTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAAATCTATATATACATCAATGTCACAAATACATACAATCCCCCACATACATAACAATATAACGAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAACTACATTAAGACATACATA-CAAATATTGCTATATATTATAACAAACATTCATATCTCCAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCCAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCCTTCAGAGCAAGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N905_KangarooIsland_KI4_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTATTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCATTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGATCATTCT??GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCACTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAAATCTATATATACATCAATGTCACAAATACATACAATCCCCCACATACATAACAATATAACGAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTACCCTAGCATATAA

GCTATACAGTACATTAATCAACTACATTAAGACATACATA-CAAATATTGCTATATATTATAACAAACATTCATATCTCCAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCCAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N906_KangarooIsland_KI4_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTATTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??CACCCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCTGACAACAAGAT-

AAATGTAATTTAATATTTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTGAGTATTAAATTCAGTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTTCTATATATACATCAATGTCACAAATACATACAATCCCCACATACATAACAATATAACGAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAACTACATTAAGACATACATA-CAAATATTGCTATATATTATAACAAACATTCATATCTCCAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCCAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAGAAACCACCATCCC GCCAT-TAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N908_KangarooIsland_KI4_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTATTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??AGAT-AAATGTAATTTAATATTTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTGAGTATTAAATTCAGTGTGCGAA-

TTTTAATTACGTAGACATATAATTTCTATATATACATCAATGTCACAAATACATACAATCCCCACATACATAACAATATAACGAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAACTACATTAAGACATACATA-CAAATATTGCTATATATTATAACAAACATTCATATCTCCAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCCAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N909_KangarooIsland_KI4_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTATTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCAACACCCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACAACAAGAT-
AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCCTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTATATATACATCAATGTCACAAATACATACAATCCCCACATACATAACAATATAACGAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAAATCAACTACATTAAGACATACATA-CAAATATTGCTATATATTATAACAAACATTCATATCTCCAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCCAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N436_KangarooIsland_KI5_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTATTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCCTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTATATATACATCAATGTCACAAATACATACAATCCCCACATACATAACAATATAACGAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAAATCAACTACATTAAGACATACATA-CAAATATTGCTATATATTATAACAAACATTCATATCTCCAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCCAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N951_Grampians_JCK_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT

CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATACATAACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAACACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAAATAAACATTTCATATCTCCAATACATAAAAACCTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCCAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N954_Grampians_JCK_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCCTACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC
AACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAAATTCCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATACATAACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAACACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAAATAAACATTTCATATCTCCAATACATAAAAACCTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCCAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N956_Grampians_JCK_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCCTACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC
AACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAAATTCCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT

```
CCATCAAACAACATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG  
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????  
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATAATTTTTCCCCTAGCATATAAG  
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAACACATACATA-  
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCCAATACATAAAAACCTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA  
GAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCCAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT  
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT
```

>N957_Grampians_VR_VIC.ab1

```
ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC  
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT  
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA  
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT  
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG  
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????  
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATAATTTTTCCCCTAGCATATAAG  
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAACACATACATA-  
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCCAATACATAAAAACCTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA  
GAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCCAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT  
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT
```

>N961_Grampians_WAN_VIC.ab1

```
ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC  
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT  
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA  
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT  
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG  
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????????  
ATTTAATATTCACCTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTGAGTATTAATTTACTGTCGAA-
```


CTATACAGTACATTAAATCAATTATATTAACACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTTCATATCTCCAATACATAAAAACCTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACCTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCCAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N971_Grampians_YOGA_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATTCATCCATCCCAAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTTC??AATTAATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCAGTGTCAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTTCCCAACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAAATCAATTATATTAACACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTTCATATCTCCAATACATAAAAACCTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACCTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCCAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N974_Grampians_YOGA_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATTCATCCATCCCAAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTTC??AATTAATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCAGTGTCAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTTCCCAACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAAATCAATTATATTAACACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTTCATATCTCCAATACATAAAAACCTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA

GAAAGATCAAATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCCAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N977_Grampians_YOGA_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC
AAATCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAACACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCCAATACATAAAAACCTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAAATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCCAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N978_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAATCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAAACCTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAGATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N979_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATAACATAACAATTTCCCAACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATAATTTTTCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATAACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAGATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCCTCCTTAGTAATCCCTCAATCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N980_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATAACATAACAATTTCCCAACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATAATTTTTCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATAACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAGATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCCTCCTTAGTAATCCCTCAATCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N981_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAAGCTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??
TTTTAATTACGTAGACATATAAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATAACATAAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATAACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAGATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N982_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAAGCTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCAACACCCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACA-
CAAAATTAATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTACAGTATTAATAATTCACTGTGCAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATAACATAAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATAACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAGATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N983_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAAGCTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??
TTTTAATTACGTAGACATATAAATCTACATATAACATCAATGTTACATATAACATAAATTTCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAAATTTTACATATAACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAGATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N984_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAAGCTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCAACACCCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACA-
CAAAATTAATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTACAGTATTAATTTCACTGTGCAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAAATCTACATATAACATCAATGTTACATATAACATAAATTTCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAAATTTTACATATAACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAGATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N985_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATACATACAATTTCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAGATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N986_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATACATACAATTTCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACATACATA-
TAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAATGAAA
GAAAGATCAGATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGAT
CGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

>N987_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT

Chapter Five: *BRCA1* sequence data

>B38_MtBurr_GH_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAATGACCAAGTAATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAAGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATCGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAAGTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B57_MtBurr_HH_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAATGACCAAGTAATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAAGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATCGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAAGTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B66_MtBurr_GL_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAATGACCAAGTAATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAAGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATCGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAAGTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B141_MtBurr_MM_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAATGACCAAGTAATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAAGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATCGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAAGGAAATAATTCTGAAC

AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B411_MtLoftyRanges_CCP_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGCTGAATTACAGATTGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B539_MtLoftyRanges_MHS_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGCTGAATTACAGATTGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B551_MtLoftyRanges_MHS_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGCTGAATTACAGATTGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B591_MtLoftyRanges_WBL_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGCTGAATTACAGATTGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC

AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B690_MtLoftyRanges_BNPS_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATTGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B746_MtLoftyRanges_SCC_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATTGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B782_MtLoftyRanges_MtBD_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGACAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATCGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B887_MtLoftyRanges_WW_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATTGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC

AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B895_MtLoftyRanges_WW_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATTGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B524_FleurieuPeninsula_ABGC_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATTGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B534_FleurieuPeninsula_WADC_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATTGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B861_FleurieuPeninsula_DCCP_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAGTAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATCGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC

AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAAAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B874_FleurieuPeninsula_MBCP_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATTGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B427_KangarooIsland_KI3_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATTGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B905_KangarooIsland_KI4_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATTGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B908_KangarooIsland_KI4_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATTGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC

AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B909_KangarooIsland_KI4_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATTGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B436_KangarooIsland_KI5_SA.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATTGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B951_Grampians_JCK_VIC.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAAATGACCAAGTAATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAAGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATCGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

>B954_Grampians_JCK_VIC.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAAATGACCAAGTAATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAAGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATCGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAGGAAATAATTCTGAAC

AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAAGGATCAAGTGTTA

>B979_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAATGACCAAGTAATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAAGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATCGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAAGGATCAAGTGTTA

>B985_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAATGACCAAGTAATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGGCAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAAGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGCCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATCGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAAGGATCAAGTGTTA

>B_I.mac_I36_NSW.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGACAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGTCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATCGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAAGGAAATAATTCTGAAC
AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAACTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAAGGATCAAGTGTTA

>B_I.mac_95.61_QLD.ab1

AGAAAAATCCTGCTGTTGACCAGATTCTTGAAAGAGAAGAAAATGACCAAGTGATGAACACAGCTAATGGTCATCTTAAACAGAAAGCACTGGCTGATCATGTTGGGGAAGTGAAAGATGCTCAGGCAGC
AGGAATGTTCCCTACAGAGAAAGAATCAACATTCAGAACTAGAATAGAGCCTAAAGCTGACAGCATAGTCCATGGGGAGCTCGAATTAATGGGAGAGGTGCCAAAATGACAAAAAAGGACAGGTTGAG
GAAAAAGCCTTCAGTCAGGATTGTCCATGAGCTTGTGGCTGATAAAAACTCAAGCTCTTCTAATGAGGGCTGAATTACAGATCGATAGCTATCCCAGCAGTGATGAGATAAGGAAAAGGAAATAATTCTGAAC

AGAAGCAAATCAGACGCAGCAGAAGACTTCAGCTACTGTCAGAAGAACTGCAGTTGGAACCAAGAAGGCCCATGAACCAGATGACCAAGCAGAAGAAAGATGTGTCAAGAAGGTTTTCCAGAATTGGA
AATAGGAAGTGTGTCTGCCGGTGCTACTGACAGCCTATCTACTGATAAGGATCAAGTGTTA

Chapter Five: *RAG1* sequence data

>R38_MtBurr_GH_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTCCCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCAGAATTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R57_MtBurr_HH_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTCCCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCAGAATTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R66_MtBurr_GL_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTCCCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCAGAATTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R141_MtBurr_MM_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTCCCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCAGAATTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R411_MtLoftyRanges_CCP_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R539_MtLoftyRanges_MHS_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R551_MtLoftyRanges_MHS_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R591_MtLoftyRanges_WBL_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R690_MtLoftyRanges_BNPS_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R746_MtLoftyRanges_SCC_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R782_MtLoftyRanges_MtBD_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R887_MtLoftyRanges_WW_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R895_MtLoftyRanges_WW_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R524_FleuriuPeninsula_ABGC_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA

CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCCAGCCAAAGAGTGCCCAGAATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R534_FleurieuPeninsula_WADC_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCCAGCCAAAGAGTGCCCAGAATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R861_FleurieuPeninsula_DCCP_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCCAGCCAAAGAGTGCCCAGAATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R874_FleurieuPeninsula_MBCP_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCCAGCCAAAGAGTGCCCAGAATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R427_KangarooIsland_KI3_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCCAGCCAAAGAGTGCCCAGAATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R905_KangarooIsland_KI4_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R908_KangarooIsland_KI4_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R909_KangarooIsland_KI4_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R436_KangarooIsland_KI5_SA.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCGGAATTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R951_Grampians_JCK_VIC.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCAGAATTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R954_Grampians_JCK_VIC.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCAGAATTTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R979_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCAGAATTTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R985_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCAGAATTTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

>R_I.mac_I36_NSW.ab1

ATCTTGTCTTCACTCCATAACTAGAAAGTCATTCTGAGAATCTAGAACGCTATGAAGTTTGGAGATCCAACCCCTACCAGGAGTCAGCAGAGGAACTGAGAGACAGAGTGAAAGGGGTCTCAGCCAAGCCT
TTCATTGAGACTGTTTCTTCCATTGATGCTCTCCACTGTGATATAGGCAATGCAGCAGAATTTTATAAACTCTTCCAGCTGGAGATTGGGGAAGTTTATAAGAATCCCAATGCATCCAAAGAAGAAAGGAAA
CGATGGCAGGCTACCCTGGACAAGCACCTCAGGAAACAAATGAACTTGAAGCCCATCATGAGGATGAATGGAACTTTGCCAGGAAGCTCATGACCAAGGAGACTGTGGAAGCGGTATGTGAGTTAATTC
ACTGTGAGGAAAGGCAAGAAGCCTTGAGGGAGCTAATGGACCTTTACCTGAAGATGAAACCTGTATGGCGCTCAACTTGCCAGCCAAAGAGTGCCCAAGATCACTTTGCCAGTATAGTTTCAA

Chapter Five: vWF sequence data

>V38_MtBurr_GH_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCCGTCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGAAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACAGCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA AACAGGCACCAGAAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGACATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCCTGTTGCGACTGTCCCTCCCCGGTGTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V57_MtBurr_HH_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCCGTCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGAAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACAGCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA AACAGGCACCAGAAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGACATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCCTGTTGCGACTGTCCCTCCCCGGTGTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V66_MtBurr_GL_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCCGTCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGAAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACAGCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA AACAGGCACCAGAAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGACATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCCTGTTGCGACTGTCCCTCCCCGGTGTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V141_MtBurr_MM_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTTCG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGAAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGACATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCCTGTTGCGACTGTCCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V411_MtLoftyRanges_CCP_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTTCG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGCAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGAGATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCCTGTTGCAACTGTCCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V539_MtLoftyRanges_MHS_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTTCG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGCAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGAGATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCCTGTTGCAACTGTCCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V551_MtLoftyRanges_MHS_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCTG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGCAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGAGATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCCTGTTGCAACTGTCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V591_MtLoftyRanges_WBL_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCTG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGCAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGAGATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCCTGTTGCAACTGTCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V690_MtLoftyRanges_BNPS_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCTG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGCAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGAGATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCCTGTTGCAACTGTCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V746_MtLoftyRanges_SCC_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCTG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGCAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGAGATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCCTGTTGCAACTGTCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V524_FleurieuPeninsula_ABGC_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCTG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGCAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGAGATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCCTGTTGCAACTGTCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V861_FleurieuPeninsula_DCCP_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCTG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGCAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGAGATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCCTGTTGCAACTGTCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V874_FleurieuPeninsula_MBCP_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCTG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGCAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGAGATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCTGTGCAACTGTCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V427_KangarooIsland_KI3_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCTG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGCAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGAGATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCTGTGCAACTGTCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V905_KangarooIsland_KI4_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCTG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGCAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGAGATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCTGTGCAACTGTCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V908_KangarooIsland_KI4_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCTG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGCAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGAGATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCTGTGCAACTGTCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V909_KangarooIsland_KI4_SA.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCTG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGCAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGAGATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCTGTGCAACTGTCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V951_Grampians_JCK_VIC.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCTG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGAAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGACATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCTGTGCGACTGTCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V954_Grampians_JCK_VIC.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCTG
TCGGATTACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGAAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAGTGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGACATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCCTGTTGCGACTGTCCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V979_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCTG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGAAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGACATCCTGAGCTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCCTGTTGCGACTGTCCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGAGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

>V_I.mac_I36_NSW.ab1

GGCTTTTGTAGTAAATATGATGGAGCGTTTACACATCTCTCAGAGGCGCATCCGTGTGGCTGTGGTGAATACCATGATGGTAGCCACTCTTACATTGAATTGAAAGATCGGAGGCGGCCCTCAGAGATTCTG
TCGGATCACCAGTTCTGTGAAGTATGCTGGCAGCAAGGTGGCTTCTACCAGTGAGGTCCTGAAATTTACCCTCTTCCATGTCTTTGGCAAAGCTGACCGCCCTGAAGCATCTCGAATTGCTTTGCTTCTGACA
GCTAGTGAGGAACCCCTCCCATGGCCAAGACTATAATCCGCTATGTACAAGGACTGAAGAAGAAGAAGGTCATTGTGATCCCAGTGGGCTTAGGGCCCCATGCTAGTCTTAAGCAGATTTCGTCTCATTGAA
AAACAGGCACCAGAAAACAAGGCCTTTTTGCTTAGTGGTGTGAATGAGCTGGAGCAAAGGCGGGATGAGATCCTGAACTACCTCTGTGACTTGGTGCCTGATATTCCTGTTGTGACTGTCCCCTCCCCGGTG
GTACAGGTTACTGTGAGTCCAGAGCTCATGGCATCACCAACCTCTCTACATAGTAGACACATGATTCTGGATGTGGTGTGTTGTGCTAGAAGGTTTCAGACAAAATTGGTGAAGCCAACTTCAACAAGAGCAAG
GAGTTCATGGAGCAAGTGATTCAAAGGATGGATGTGGGTCAACATAACATCCACATTTCCATCATAACAGTACTCTTATGCAGTGACTGTGGAATTCTCCTTCAATGAAACTCAGTCTAAGAGATATATACTG
GAGAAGGTCCAACAGATACGCTATCGGGGAGGCAACAG

Chapter Five: expanded mtDNA dataset

N_I.mac_I.m#22_MitchellPlateau_WA.ab1

ATAATTTTACTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATCTTATATCAAATTTCCCATCGCTCAATATAAATCTATTAGTTTTACTAGCAGTATCATCAACACTATTAGGCGGATGAGGAGGATTAAATC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGGTGAATAACTGTTATCGTACTAATTAATCCATCACTAACAATCTAAACCTTCTAATTTACATTGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGTCTCAACCTAACCTCAACTACCAAAATCAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTACTGTCACTAGGAGGCTTACCACCACTAACAGGATTC
ATACCAAAATGACTTATCTTACAAGAATTATTATTTATAACAATATTACAACAGCCATATTACTAGCATTATCAGCTTTACTAAACCTATTCTTCTACATACGAATTATTTATACATCCACACTAACAATATT
CCCATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATACATCCCCCAAACCAACTTCACTTATCCCATCAATAACTATTATTTTCAGCTATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTTATTAATCTCACATAAATAA
GAATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??CCCAAAGCTGATATCTACTTAAACTACTTCTGACAACAAGAT--AATGCAATTTAATATTCCACT-
ATTACTTTAGTTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCATTATCGAA-
TTTTAATTGTCTAGACATACAATTATATAAGTACATTAATGCTATAAATACATACTATTCCCATATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTCAATCAATTATAATAAAACAT-
AGAAAATAAACATTACTATAAATCAAATAAAACATTCATATCTCAAATACATAAATACTCATATATTACATAAGACATTATATGTATAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATAAAATC
AATGAAAGAAAGATCAAACAACCTTACTACTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTAATCCCTTTATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCATAAA
ATGGGATCGTATT-AAATCGACTT-ACTG??????????

N_I.mac_95.61_QLD.ab1

ATAATTTTACTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATCTTATATCAAATTTCCCATCACTTAATATCAATCTATTAGTTTTACTAGCTGTATCATCAACACTATTAGGCGGATGGGGAGGATTAAACC
AAACCCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACTGTTATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATCTAAATCTTTAATTTATATTGCAGCAACCCTAGCAATTTTC
CTTTGTCTCAACCTAACCTCAATTACCAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCCATAACAATCACCTAATAATTATTTTACTATCACTAGGAGGCTTACCACCATTAACAGGATTTAT
ACCAAAATGACTTATCTTACAAGAATTATTGTTTATAACAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTATCAGCTTTACTAACTTATTCTTCTACATACGAATCATTATACATCTACACTAACAATATTCC
CATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATACATCCCCCAAACCAACTTCACTCATCCCATCAATAACTATTATTTTCAGCTATACTACTTCTCTATCCCCACTGGTTATTAATCTTACATAAATAAGA
ATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT????????????????????????????????????CCTGGCAACAAGGT--AATGTAATTTAATATTCCAC-TATTACTTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCATTATCAAA-
TTTTAATTGTAAAAACATAAAATTATATAAGTACATCAATGCTACATATAACATATTATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTATATTATTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATCAATATAT-
AAAAAGTAAATATTACTATAAATTAATAAAACATTCATATCTCAAATACATAAATACTCATATATAACATAAAACATTATATGTATAATTTTACATATACATTAATAGCTTTATCCACATAAACATAAAATCA
ATGAAAGAGAGATCAAACAACCTTACTACTCTAGCATATCCCCACCTTTAATAATCCCTTCATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGGCCATAAAA
TGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGG??????????

N_I.mac_I36_NSW.ab1

ATAATTTTACTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATCTTATATCAAATTTCCCACACTTAATATCAATCTATTAATTTTACTAGCTGTATCGTCAACACTATTAGGCGGATGGGGAGGATTAAACC
AAACCCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACTGTTATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATCCTAAATCTTTTAATTTATATTGCAGCAACCCTAGCAATTTTC
CTTTGTCTCAACTTAACCTCAATTACCAAAATTAATGCACCTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTACTATCACTAGGAGGCTTACCACCATTAACAGGATTTAT
ACCAAAATGACTTATCTTACAAGAATTATTGTTTATAACAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTATCAGCTTTACTAACTTATTCTTCTACATACGAATCATTTATACATCTACACTAACAATATTCC
CATCAAACAACCTCATCCAAATCCAATGATTCCATACATCCCCAAACCAACTTCACTCATCCCATCAATAACTATTATTTTCAGCTATACTACTTCTCTGTCCCCACTAGTTATTAATCTTACATAAATAAGA
ATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC????????????????????????????????????CCTGGCAACAAGGT--AATGTAATTTAACATTCCAC-TATTACTTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCATTATCAAA-
TTTTAATTGTAAAAACATACAATTATATAAGTACATTAATGCTATACATACATACTATTCCCCATATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTCAGTTATTTACCACTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTAACATAT-
AAAAAGTAAACATTACTATAAATTAACAGAACATTCATATCTTAAATACATAACTCATATATAACATAAAACATTATATGTATAATTTTACATATACATTAATAGCTTTATCCACATAAAACATAAAATCA
ATGAAAGAAAGATCAAACAACCTTACTACCCTAGCATATCCCCACCTTTAGTAATCCCTTCATCCCCAACTCAGGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCCATAAAA
TGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGG??????????

N_I.aur_D2096_Marchinbar_NT.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTGAATTTAACTTCAACTACCAAAATTAATGCACCTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCTCTATCCCCACTAATCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC AACACCCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCTGACAACAAGAT-
AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTTCAGTATTAAATTCACTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATACAATTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATACAATTTCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTAAGACAT--ACATACAAATATTACTATATATTATAACAAACATTCATATCTCTAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAAATCAATGAAGGAAAGATCAAACAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCCATAAAAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTA??????????????

N_I.aur_262B_GeorgeWater_WA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTATTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAATTAATGCACCTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA

TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAACTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCTTTTTCCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACAACAAGAT-
AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCATTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTATATATACATTAATGTCATAAAATACATACAATTTCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAAATCAATTATATTAACAT--ACATATAAATATTACTATATATTATAATAAACATTCATATCTCTTATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCATAAAATGGGATCGTATT-AAAT-GACTT-ACTG??????????

N_I.aur_1B_GeorgeWater_WA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTATTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAAATCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTTA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAACTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCTTTTTCCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACAACAAGAT-
AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCATTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATTAATGTTACAAAATACATACAATTTCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAAATCAATTATATTAAGACAT--ACATACAAATATTACTATATATTATAACAAACATTCATATCTCTAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCATAAAATGGGATCGTATT-AAATTGACTT-ACTG??????????

N_I.aur_Ia#1_Barrow_WA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAAATCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGTCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTTA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATCACAAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCTTTTTCCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACAACAAGAT-
AAATGTAATTTGATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCATTGTCGAA-

TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAAATTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAAATCAATTATATTAAGACAT--ACATACAAATATTACTATATATTATAATAAACATTCATATCTCTAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATCTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTACTTCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCTCAACTCAGGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGATCGTATT-AAATTGACTT-ACTG??????????

N_I.aur_IA1_Barrow_WA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGTCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATCACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAAACAACCTCATCCAAATTCGAATTCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCAT?C?????CCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACAACAAGAT-
AAATGTAATTTGATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCACTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAAATTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAAATCAATTATATTAAGACAT--ACATACAAATATTACTATATATTATAATAAACATTCATATCTCTAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATCTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTACTTCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCTCAACTCAGGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGATCGTATT-AAATTGACTT-ACTG??????????

N_I.aur_D2111_Marchinbar_NT.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTGAATTTAACTTCAACTACCAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAAACAACCTCATCCAAATTCGAATTCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAATCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATCAACACCCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACAACAAGAT-
AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCACTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATACAATTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAAATTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAAATCAATTATATTAAGACAT--ACATACAAATATTACTATATATTATAACAAACATTCATATCTCTAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAGGAAAGATCAAACAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCATAAAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTA??????????????

N_G2_Sydney_NSW.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATCGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGACTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCTTTTTTTTTTTTTTTCTA-TTAAACTACTTCCTGACA-
CAAAATTAATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTTCACTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATACATACAATTTCCACATACATAACAATATAACAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATTAATACAT-
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATAACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAGATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATT-AAATTGACTT-ACTG????????

N_K1_Sydney_NSW.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATCGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCTTTTTCCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGAC-
ACAAAATTAATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTTCACTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATAACATACAATTTCCACATACATAACAATATAACAATGCATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATACTAACACAT-
ACATACAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATTTAATGTTTAATTTTACATATAACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAGATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATT-AAATTGACT????????????

N_K2_Sydney_NSW.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC

AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATCGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT????CCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACA-
CAAAATTAATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTTCACTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATGCATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATACTAACACAT--
ACATACAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAAACCTCATATATTACATAAAAACATTTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAGATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATT-AAATTGACTT-ACTG?????????

N_G1_Sydney_NSW.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATCGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT????CCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACA-
CAAAATTAATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTTCACTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATGCATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATACTAACACAT--
ACATACAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAAACCTCATATATTACATAAAAACATTTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAGATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATT-AAATTGACTT-ACTG?????????

N_Vict_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA

TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT????????????????????????????????CCTGACA-
CAAAATTAATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCCTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATAACATAAATTTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAACACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCCAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATAACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCCAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGG?????????

N_94.116_StokesBay_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTATTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTAATAAATTAACCCATCACTAACAAATTTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT????????????????????????????????CCTGACAACAAGAT-
AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCCTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTATATATACATCAATGTCACAAATACATAACAATCCCCACATACATAACAATATAACGAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAACTACATTAAGACAT--ACATACAAATATTGCTATATATTATAACAAACATTCATATCTCCAATACAT-
AACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATAACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCTCCAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGG?????????

N_29020_Donovans_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTAATAAATTAACCCATCACTAACAAATTTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT????????????????????????????????CCTGACA-

CAAAATTAATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCCTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATTAATACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAGATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGG????????

N_Tas2_TAS.ab1
ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATCACCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAATCCATCACTAACAAATTATAAATCTATTAATCTACATCGCAGCAACCATAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAATTAATGCACCTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATAACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAATTCATCCAAATTCGAATTCATCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTACATAAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC????????????????????????????????????GACA-CAA??TT-AATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCCTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATTAATGTCACACATACATATAATCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATACTAACACAT--
ACAAATAAATATTACTATAATCTATAACAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATACATTACATAAGACATCTGATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATAAAATCAA
TGAAAGAAAGATCAGATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGG????????

N_94.197_MtCompass_SA.ab1
ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATCTATACCAAATTTCCCACACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAAATCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTGAATTTAACTTCAACTACCAAATTAATGCACCTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATTATCTATAACATCCACACTAACAAATTTT
CATCAAACAACCTATCCAAATTCGAATTCATCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAAATAAGA
ATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC????????????????????????????????CCTGACAACAAGAT-AAATGTATTTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCCTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATACAATTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAAGTTATTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATTAAGACAT--ACATACAAATATTACTATAACATCAATAAAACATTCATATCTCTAATACAT-

AAACTCATATATTACATAAAACATATGATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAGGAAAGATCAAATAACCTACTTCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGCA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCCTTCAGAGCAAGCCCATAAAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGG????????

N_53_WFranklin_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTGGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTAATAATTAACCCATCACTAACAAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATTATCTATAACATCCACACTAACAAATATTT
CATCAAACAACCTCATCCAAATCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAGA
ATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC????????????????????????????????????CCTGACAACAAGAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCAGTGTGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATTAATGTCATAAATACATAACAATCCCCCACATACATAACAATATAGCAAATACATAATATGTATATATTACATTAAATTTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTAACAT--ACATACAAATATTACTATATATTATAATAAACATTCATATCTACAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTTCCTCTAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCCTTCAGAGCAGGCCCATAAAATGGGATCGTATTTAAAKTGACTTTACTGG????????

N_I.o#3_DawIsland_WA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTAATAATTAACCCATCACTAACAAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTTA
TACCAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATAACATCCACACTAACAAATATT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATCCAATGATTTTCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCAT????????CAA-GCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACAACAAGAT-
AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCAGTGTGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATATAATTTCCCCACATACATAACAATATAACGAATACATAATATGTATATATTACATTAAATTTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTACATTAAGACAT--ACATACAAATATTGCTATATATCATAATAAACATTCATATCTCCAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTTCCTCCAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCCTTCAGAGCAAGCCCATAGAATGGGATCGTATT-AAATCGACTT????????????????

N25_MtBurr_KF_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC

N122_MtBurr_WO_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??AATTAATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCAGTGTGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAGATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N141_MtBurr_MM_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??AATTAATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCAGTGTGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAGATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N411_MtLoftyRanges_CCP_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTAAACATAAATCTATTAATCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAGTTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA

TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCACTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAAATTCTACATATACATTAATGTCATAAATACATACAATTTCCCACATACATAACAATATAGCAAATACATAATATGTATATATTACATTAATAATTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTTAAAACAT--ACATACAAATATTACTATATATTATAATAAACATTCATATCTACAATACAT-
AACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N539_MtLoftyRanges_MHS_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTAAACATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AACTCACCTACGAAAAATTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAAATCTAAATCTATTAGTTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCACTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAAATTCTACATATACATTAATGTCATAAATACATACAATTTCCCACATACATAACAATATAGCAAATACATAATATGTATATATTACATTAATAATTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTTAAAACAT--ACATACAAATATTACTATATATTATAATAAACATTCATATCTACAATACAT-
AACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N551_MtLoftyRanges_MHS_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTAAACATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AACTCACCTACGAAAAATTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAAATCTAAATCTATTAGTTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCACTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAAATTCTACATATACATTAATGTCATAAATACATACAATTTCCCACATACATAACAATATAGCAAATACATAATATGTATATATTACATTAATAATTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTTAAAACAT--ACATACAAATATTACTATATATTATAATAAACATTCATATCTACAATACAT-

AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N591_MtLoftyRanges_WBL_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAACATAAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAAATTCTAAATCTATTAGTTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATAACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATTCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCACTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATTAATGTCATAAATACATAACAATCCCCACATACATAACAATATAGCAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTAACAT--ACATACAAATATTACTATATATTATAATAAACATTCATATCTACAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N690_MtLoftyRanges_BNPS_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTGAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATTATCTATAACATCCACACTAACAAATTTT
CATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATTCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAGA
ATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCACTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATACAATTTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATAACAATCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAAGTTATTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTAAGACAT--ACATACAAATATTACTATACATCATAATAAACATTCATATCTCTAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATGATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAGGAAAGATCAAATAACCTACTTCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGCA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCATAAAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

N746_MtLoftyRanges_SCC_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT

CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCAGTGTCAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATTAATGCCATAAATACATACAATTTCCCACATACATAACAATATAGCAAATACATAATATGTATATATTACATTAAATTTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAAATCAATTATATTTAAAACAT--ACATACAAATATTACTATATATTATAATAAAACATTCATATCTACAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATAACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N782_MiLoftyRanges_MtBD_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAAATCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTGAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATTATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAGA
ATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC AACACCCAAAGCTGATATTCTATTTAACTACTTCCTGACAACAAGAT-
AAATGTATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCAGTGTCAA-
TTTTAATTACGTAGACATACAATTCTACATATAACATTAATGTCACAAATACATACAATTTCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAAGTTATTTACCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAAATCAATTATATTAAGACAT--ACATACAAATATTACTATATATCATAATAAAACATTCATATCTCTAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATAACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAGGAAAGATCAAATAACCTACTTCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCATAAAAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

N895_MiLoftyRanges_WW_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAAATCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAATATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCAGTGTCAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATTAATGCCATAAATACATACAATTTCCCACATACATAACAATATAGCAAATACATAATATGTATATATTACATTAAATTTTACCCTAGCATATAA

GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTTAAAACAT--ACATACAAATATTACTATATATTATAATAAACATTCATATCTACAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N524_FleurieuPeninsula_ABGC_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAAATAATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTTCTACATACGAATTATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAGA
ATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??GAT-
AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCAGTGTGCAATTTTTAATTACGTAGACATACAATTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATACAATTCCCC
ACATACATAACAATATAACAATAACATAATATGTATATATTACATTAAGTTATTTACCCCTAGCATATAAGCTATACAGTACATTAATCAATTATACTAAGACAT--
ACATACAAATATTACTATATATCATAATAAACATTCATATCTCTAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTACTTCCTCTAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCCATAAAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

N534_FleurieuPeninsula_WADC_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAAATAATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTTCTACATACGAATTATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAGA
ATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??GAT-
AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCAGTGTGCAATTTTTAATTACGTAGACATACAATTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATACAATTCCCC
ACATACATAACAATATAACAATAACATAATATGTATATATTACATTAAGTTATTTACCCCTAGCATATAAGCTATACAGTACATTAATCAATTATACTAAGACAT--
ACATACAAATATTACTATATATCATAATAAACATTCATATCTCTAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTACTTCCTCTAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCCATAAAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

N861_FleurieuPeninsula_DCCP_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTGAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAAATAATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATTATCTATAACATCCACACTAACAATATTTT
CATCAAACTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAGA
ATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC????????????????????????????????????GAT-AAATGTATTTTAAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCA?TGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATACAATTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAAGTTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTAAGACAT--ACATACAAATATTACTATATATCATAATAAACATTCATATCTCTAATACAT-
AACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAGGAAAGATCAAATAACCTACTTCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGCA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCATAAAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

N874_FleurieuPeninsula_MBCP_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTACTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTGAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAAATAATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATTATCTATAACATCCACACTAACAATATTTT
CATCAAACTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAGA
ATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC????????????????????????????????????GAT-AAATGTATTTTAAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAAATTCACTGTGAA-
TTTTAATTACGTAGACATACAATTCTACATATACATTAATGTCACAAATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAATTATATTAAGACAT--ACATACAAATATTACTATATATCATAATAAACATTCATATCTCTAATACAT-
AACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATTAATCAATGAAGGAAAGATCAAATAACCTACTTCCTCTAGCATATCCCTACCTTTAGCA
ATCCCTCAATCCCCAACTCAGGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCATAAAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

N423_KangarooIsland_KII_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTATTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAAATAATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATAACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG

N906_KangarooIsland_KI4_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTATTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAAATAATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCCACCCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACAACAAGAT-
AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCACTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTATATATACATCAATGTCACAAATACATACAATCCCCACATACATAACAATATAACGAATACATAATATGTATATATTACATTAAATTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAACTACATTAAGACAT--ACATACAAATATTGCTATATATTATAACAAACATTCATATCTCCAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTTCTCCAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCAT-TAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

N908_KangarooIsland_KI4_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTATTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAAATAATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCC??AGAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCACTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTATATATACATCAATGTCACAAATACATACAATCCCCACATACATAACAATATAACGAATACATAATATGTATATATTACATTAAATTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAATCAACTACATTAAGACAT--ACATACAAATATTGCTATATATTATAACAAACATTCATATCTCCAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTTCTCCAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAAGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

N909_KangarooIsland_KI4_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTATTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAAATAATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATT

CCATCAAACAACATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCAACACCCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACAACAAGAT-
AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTTCAGTATTAAATTCAGTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTATATATAACATCAATGTCACAAATACATAACAATCCCCACATACATAACAATATAACGAATACATAATATGTATATATTACATTAAATTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAAATCAACTACATTAAGACAT--ACATACAAATATTGCTATATATTATAACAAACATTCATATCTCCAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCCAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCCTTCAGAGCAAGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

N436_KangarooIsland_KI5_SA.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTAAATATAAATCTATTAATCCTACTAGCAGTATCATCAACATTATTAGGTGGATGAGGAGGACTAAACC
AAACTCACCTACGAAAAATTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATGACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAGCTCCTATAACAATTACCCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAAGCTTATTATTTATAAATAATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATCAATCTTACATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??GAT-AAATGTAATTTAATATTCCAATTATTACCTTAATTTTATATACTATGTTCAGTATTAAATTCAGTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTATATATAACATCAATGTCACAAATACATAACAATCCCCACATACATAACAATATAACGAATACATAATATGTATATATTACATTAAATTATTTACCCCTAGCATATAA
GCTATACAGTACATTAAATCAACTACATTAAGACAT--ACATACAAATATTGCTATATATTATAACAAACATTCATATCTCCAATACAT-
AAACTCATATATTACATAAAACATATAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATTAATCAATGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCCAGCATATCCCCACCTTTAGTA
ATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCCTTCAGAGCAAGCCCATAGAATGGGATCGTATTTAAATCGACTTTACTGGCTACTGGTT

N951_Grampians_JCK_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAAGCTTATTATTTATAAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAACAACATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??AATTAATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTTCAGTATTAAATTCAGTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATACATACAATCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAAATTATTTCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAAATCAATTATTAACACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCCAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAAACATATAATCAA

N957_Grampians_VR_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??
TTTTAATTACGTAGACATATAAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAAATATGTATATATTACATTAATAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAACACAT--
ACATATAAACATTACTATAAATCTATAATAAACATTCATATCTCCAATACATAAAACTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCCAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N961_Grampians_WAN_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??
TTTTAATTACGTAGACATATAAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAAATATGTATATATTACATTAATAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAACACAT--
ACATATAAACATTACTATAAATCTATAATAAACATTCATATCTCCAATACATAAAACTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCCAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N962_Grampians_WAN_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA

TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCAACACCCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACA-
CAAAATTAATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCACTGTGCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATAACATAAATTTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAACACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTTCATATCTCCAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATAACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCATCCAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N968_Grampians_JR_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC
AACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTAATAAATTAACCCATCACTAACAAATTTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATAACATAAATTTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAACACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTTCATATCTCCAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATAACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCATCCAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N971_Grampians_YOGA_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC
AACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTAATAAATTAACCCATCACTAACAAATTTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATAACATAAATTTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCTAGCATATAAG

TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAAAATTATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAACACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCCAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCCAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N974_Grampians_YOGA_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCCATAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCCATCCCAAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCTAGTCAATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAAAATTATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAACACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCCAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAAATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCCAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N977_Grampians_YOGA_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGGGGGCTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCCATAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCCATCCCAAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCTAGTCAATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAAAATTATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAACACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCCAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA

N980_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATTCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATAACAATTTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAAACCTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAGATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N981_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATTTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTCGAATTCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTC??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATAACAATTTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAAACCTCATATATTACATAAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAGATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N982_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AAACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTAATTAACCCATCACTAACAATTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA

TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCAACACCCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACA-
CAAAATTAATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCACTGTGCAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATAACATAAATTTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATAACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAGATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N983_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTAATAAATTAACCCATCACTAACAATTTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??
TTTTAATTACGTAGACATATAATTCTACATATAACATCAATGTTACATATAACATAAATTTCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATAACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAGATAACCTATTTCCCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCC GCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N984_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCATCACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTAATAAATTAACCCATCACTAACAATTTCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAAATTAATGCACTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAAATTATTTTATTATCACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATTCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAAATATTT
CCATCAAACAACCTCATCCAAATTTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCAACACCCAAAGCTGATATTCTATTTAAACTACTTCCTGACA-

CAAAATTAATGTAATTTAATATTCCACTTATTACCTTAATTTTATATACTATGTCAGTATTAATTCCTGTCGAA-
TTTTAATTACGTAGACATATAAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAGATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N985_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??
TTTTAATTACGTAGACATATAAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA
TGAAAGAAAGATCAGATAACCTATTTCTCTAGCATATCCCCTCCTTTAGTAATCCCTCAATCCCCAACTCACGAGAAACCACCATCCCGCCATCTAAAGGCTTAACATCCTTCAGAGCAGGCCCATAGAAT
GGGATCGTATTTAAATTGACTTTACTGGCTACTGGTT

N986_LowerGlenelg_LG_VIC.ab1

ATAATTTTATTAACATGACAAAAAATTGCCCAACCTCAATTCTATACCAAATTTCCCACACTCAATATAAACCTATTAATCTTATTAGCAGTATCATCAACACTACTAGGTGGGTGAGGAGGACTTAACC
AACTCATCTACGAAAAATCTTAGCCTATTCATCAATTGCCCATATAGGATGAATAACCGTAATTGTACTAATTAACCCATCACTAACAATTCCTAAATCTATTAATTTACATCGCAGCAACCCCTAGCAATTTT
CCTTTGCCTAAATTTAACTTCAACTACCAAAATTAATGCACCTTTCCAATTTATGAAATAAATCAACTCCTATAACAATCACCTAATAATTATTTTATTACTAGGAGGCCTACCACCATTAACAGGATTCA
TACCAAAATGGCTTATTTTACAAGAACTTATTATTTATAATAACATTACAACAGCCATATTACTAGCCTTTTCAGCTTTACTAAATTTATCTTCTACATACGAATCATCTATACATCCACACTAACAATATTT
CCATCAAAACAACCTCATCCAAATTCCAATGATTCCATTCATCCCCAAAACCAACTTCATTAATCCCATCAATAACTATCATTTTCAGCCATATTACTTCCTCTATCCCCACTAGTCATTAATCTTATATAAATAAG
AATTACAAGACTCTATCTTGCATCATTCT??
TTTTAATTACGTAGACATATAAATTCTACATATACATCAATGTTACATATACATACAATCCCCACATACATAACAATATAACAAATACATAATATGTATATATTACATTAATTTTCCCCTAGCATATAAG
CTATACAGTACATTAATCAATTATATTAATACAT--
ACATATAAACATTACTATAATCTATAATAAACATTCATATCTCTAATACATAAAACTCATATATTACATAAAACATCTAATGTTTAATTTTACATATACATTAATAGCTTAATCCACATAAACATATAATCAA

